Document made available under the Patent Cooperation Treaty (PCT)

International application number: PCT/EP05/002927

International filing date: 18 March 2005 (18.03.2005)

Document type: Certified copy of priority document

Document details: Country/Office: BE

Number: 2004/0152

Filing date: 19 March 2004 (19.03.2004)

Date of receipt at the International Bureau: 23 May 2005 (23.05.2005)

Remark: Priority document submitted or transmitted to the International Bureau in

compliance with Rule 17.1(a) or (b)



ROYAUME DE BELGIQUE 91

MINISTERE DES AFFAIRES ECONOMIQUES ADMINISTRATION DE LA POLITIQUE COMMERCIALE



Il est certifié que les annexes à la présente sont la copie fidèle de documents accompagnant une demande de brevet d'invention tels que déposée en Belgique suivant les mentions figurant au procès-verbal de dépôt ci-joint.

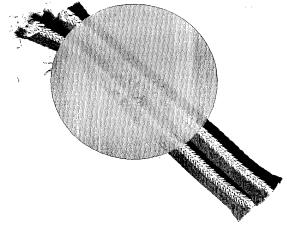
Bruxelles, le-1. -4-2005

Pour le Conseiller de l'Office de la Propriété industrielle

Le fonctionnaire délégué,

S. DRISQUE / Cousciller a.i.





SERVICE PUBLIC FEDERAL ECONOMIE PME, CLASSES MOYENNES & ENERGIE

PROCES-VERBAL DE DEPOT D'UNE DEMANDE BREVET D'INVENTION

Administration de la Régulation et de l'Organisation des marchés

N° 2004/0152

Offic	e de la Propriété Inte	ellectuelle					•	
Aujourd'hui, le	19/03/2004	à Bruxelles,	15	heures	00	minutes		,
en dehors des h contenant une d DE MICROOR	eures d'ouvertur lemande en vue d GANISMES.	e de bureau de dé l'obtenir un breve	pôt, l'OF et d'inven	FICE DE LA tion relatif à	A PROPE TEST	RIETE INTELLEO DE DIAGNOSTI	CTUELLE a reçu C ET D'IDENTII	un envoi postal FICATION
introduite par	CROCHET							
agissant pour :	Trace de l'Omy	CATHOLIQUE I versité, 1 N-LA-NEUVE	DE LOU	VAIN				
a demande, telle er de la loi du 28	16 demandans	ffectif du demande		saires pour o	btenir ur	e date de dépôt co	` onformément à 1	'article 16, §

Le fonctionnaire délégué,

S. DRISQUE

Bruxelles, le

19/03/2004

Test de diagnostic et d'identification de microorganismes

5

10

15

20 10

25

30

L'invention concerne un test de diagnostic et d'identification de microorganismes et en particulier de bactéries. L'invention concerne également un test de détection de microorganismes dans un milieu et de discrimination de ceux-ci.

L'invention concerne plus particulièrement un système d'analyses moléculaires multi-génotypiques selon les spécificités de genre- et d'espèce au moyen d'une hybridation inverse sur support solide (microplaque) pour l'identification rapide de la présence d'ADN bactérien dans un échantillon humain, animal ou environnemental.

Dans la pratique médicale et vétérinaire, l'identification des agents pathogènes responsables des maladies infectieuses est une étape importante avant l'instauration d'un traitement adéquat. Cette identification se fait classiquement par des méthodes microbiologiques conventionnelles (culture sur gélose ou en phase liquide) mais ces méthodes ont leurs propres limitations:

- (a) La phase de culture est suivie d'une identification phénotypique basée sur les caractéristiques biochimiques de l'espèce. L'ensemble de ce processus requiert en général 48 à 72 heures. Ce délai d'attente est malheureusement très long, vu la rapidité de la croissance des microorganismes dans les tissus infectés et les effets pathologiques liées à dernière ou aux toxines produites par les microorganismes. Ce délai est aussi très long lorsqu'il s'agit d'échantillons environnementaux, où peuvent être présents des germes pouvant atteindre un très grand nombre de personnes très rapidement, surtout s'ils y sont présents sous forme d'aérosols. Il y a donc nécessité d'identifier en un minimum de temps le ou les agents impliqué(s) dans les infections humaines ou animales ou présent(s) dans l'environnement.
- (b) En clinique, il est fréquent que la culture bactérienne demeure négative, même dans des cas où les signes cliniques et biologiques plaident pour un diagnostic d'infection. La raison de ces résultats faussement négatifs sont soit le trop petit nombre de bactéries, connu sous le terme technique «low bacteria burden» présentes dans les tissus ou fluides analysés, la croissance trop lente de certaines bactéries, ou l'inhibition de croissance

registre man, vers († 1917), et som græssmen som effekter fort, grænnes († 1917), et e 1918 – na som Frederichen, en en monnethe som enges form. De mydensk med bling i due à une antibiothérapie préalable (ce dernier paramètre étant le plus fréquent).

De par sa capacité d'amplification de l'ADN (grande sensibilité), la technique d'amplification génique (PCR) a été rapidement pressentie comme un outil pouvant permettre une identification des faibles quantités de microorganismes. En moléculaires permettant l'identification des tests microorganismes dans les échantillons humains ou environnementaux ont été développés (Jonas et al, 2003; Palomares et al, 2003; Xu et al, 2002). La limitation de ces tests réside toutefois dans leur spécificité d'espèce ou de genre (Brakstad et al, 1992; Vannuffel et al, 1998). En l'absence d'indication sur la nature des bactéries présumées présentes dans un échantillon environnemental ou dans des tissus / fluides biologiques d'origine humaine ou animale normalement stériles, il est en effet indispensable de disposer de méthodes de screening moléculaire ciblant le plus grand nombre possible de bactéries pathogènes potentielles. Dans ce cas, l'utilisation de marqueurs specifiques d'une espèce ou d'un genre bien determine est compliquée par la nécessite de devoir multiplier l'éventail de ces marqueurs pour tester l'échantillon (or la quantité d'ADN extrait de ce type d'échantillon est limitée). Pour être utilisables en routine, les tests moléculaires doivent donc interroger directement des cibles moléculaires «à très large spectre», permettant à la fois de générei rapidement un signal attestant de la présence de bactéries dans un milieu normalement stérile (étape de détection), et, dans parallèlement ou dans un second temps, de les identifier sur base du genre, voire de l'espèce (étape d'identification).

10

ď,

15

. 5

20

25

15

30

35

Conditional (Con-

Le premier but de l'invention est une étape de détection ou de mise en évidence d'un microorganisme et plus particulièrement d'une bactérie dans un échantillon normalement stérile

Détecter la signature moléculaire de bactéries dans des échantillons normalement stériles ou dans des échantillons où la culture est faussement négative est un argument précieux en faveur du diagnostic d'infection bactérienne. Afin de détecter la présence de bactéries, des marqueurs moléculaires extrêmement conservés sont utilisés. Le plus utilisé à ce jour est le gène codant pour les ARN ribosomiaux (gène 16s rDNA) (Klaschik et al, 2002) ainsi que la région intergénique 16S-23S (Gurtler & Stanisich, 1996). Cependant, la conservation des séquences des gènes ribosomiaux 16S ne permet pas toujours de faire la distinction entre plusieurs espèces, comme c'est le cas pour les bactéries du groupe Bacillus

The same to the contract of the property of the same o

(La Scola et al, 2003). Il en est de même pour l'espace intergénique 16S-23S qui ne permet pas de différencier entre elles toutes les bactéries du genre *Streptococcus* (Gianinno et al, 2003)

Le but de la présente invention est de fournir et de caractériser une série de marqueurs moléculaires conservés. Par marqueur moléculaire conservé, on entend une séquence d'ADN codante ou non que l'on retrouve chez plusieurs espèces bactériennes, ayant une identité de séquence supérieure ou égale à 50%, et de préférence supérieure ou égale à 80%, lors d'un alignement avec la séquence d'origine. Il est préférable de choisir deux séries de marqueurs conservés, les uns présentant une conservation limitée de préférence aux bactéries à Gram positif et les autres ciblant préférentiellement les bactéries à Gram négatif.

5

10

15

20

25

30

Utiliser ces deux séries de marqueurs de manière combinée permet de couvrir un spectre beaucoup plus large (de pathogènes bactériens en améliorant la spécificité de la détection moléculaire sur base des composantes de la paroi bactérienne et, pour chaque série de marqueurs, d'améliorer la couverture des bactéries du groupe. Un autre but de l'invention concerne la mise en évidence d'une bactérie selon son phénotype Gram. Ce but permet de définir un typage sur base de la classification phénotypique de Gram.

En microbiologie conventionnelle, on distingue les bactéries selon la structure de leur paroi (la paroi est présente chez toute les bactéries excepté les mycoplasmes). Cette structure conditionne l'aspect des bactéries après coloration de Gram (colorant comportant plusieurs étapes successives de coloration incluant un traitement au violet de gentiane, au lugol, à l'alcool et à la fuchsine.) Les bactéries dont la paroi est perméable à l'alcool perdent leur coloration par le violet de gentiane et sont colorées en rouge par la fuchsine, ce sont les bactéries à Gram négatif. Chez les bactéries à Gram positif, la paroi est composée essentiellement par du peptidoglycane. Chez les bactéries à Gram négatif, la couche de peptidoglycane est mince et la paroi a une structure plus complexe. En pratique, le choix d'une antibiothérapie repose essentiellement sur la coloration de Gram. Les antibiotiques ayant pour cible la paroi bactérienne sont en effet nettement plus efficaces sur les bactéries à Gram positif. Les études cliniques montrent que tout retard à l'initiation de l'antibiothérapie se traduit par un accroissement de mortalité et morbidité hospitalière. Dans les infections graves, les médecins n'attendent pas les résultats de l'identification phénotypique (culture) mais se base sur la coloration de Gram effectués sur les prélèvements de tissus.

La présente invention fournit un test permettant une discrimination rapide entre les bactéries à Gram positif et les bactéries à Gram-négatif. Ce test contient des marqueurs de détection choisis en tenant compte de leur prédilection. Le test de l'invention utilise des marqueurs conservés préférentiellement chez les bactéries à Gram positif et des marqueurs conservés préférentiellement chez les bactéries à Gram-négatif. Ceci est l'inverse de ce qui est décrit avec le gène 16S rDNA qui est indistinctement utilisé pour les bactéries à Gram-positif et à Gram-négatif.

La présente invention fournit également un test d'identification de microorganismes.

10

15

20

25

30

35

Pour cette discrimination, l'identification moléculaire ultime de l'espèce résulte classiquement de l'analyse de séquence du produit d'amplification et de la comparaison de cette séquence avec celles qui sont disponibles dans les banques d'ADN (par exemple la banque GeneBank). La réaction de séquençage nécessite près de 24 heures de délai afin de réaliser les différentes étapes de la manipulation : purification de l'amplicon, réaction de séquence proprement dite nécessitant un équipement performant, purification du produit de séquence, lecture et interprétation du résultat.

La présente invention permet de raccourcir significativement le temps nécessaire pour l'identification au niveau de l'espèce et du genre en pratiquant une hybridation inverse des amplicons marqués sur des sondes de capture homologues Gram-, genre- ou espèce spécifiques, fixées de manière covalente sur une microplaque (Hamels et al, 2000). La lecture du résultat peut être automatisée, facilitant ainsi l'implémentation de ces méthodes en routine clinique.

Une étape de l'invention comprend l'amplification conjointement de plusieurs marqueurs conservés dont les amplicons correspondants sont hybridés et identifiés sur support solide au moyen de sondes de capture. Le résultat de l'identification comporte les informations relatives au phénotype Gram des bactéries présentes dans l'échantillon considéré ou une combinaison des deux phénotype en cas d'infections mixtes à Gram positif et à Gram négatif, ainsi qu'une information sur leur genre respectif et sur l'espèce auxquelles elles appartiennent. La réponse finale intègre l'ensemble des signaux d'hybridation des marqueurs utilisés.

La présente invention se rapporte également à la fabrication d'un support solide sur lesquelles se trouvent plusieurs sets de sondes de capture liés de manière covalente ou synthétisés directement sur le support. Chaque sonde reconnaît un gène

particulier d'intérêt et est lui-même constitué d'un ensemble de sondes de capture définies pour reconnaître les spécificités de genre et d'espèce de ce marqueur génétique. Un set de gènes sélectionnés permet d'identifier les microorganismes sur base du phénotype Gram. Les séquences permettant la détection multigénotypique moléculaire sont décrites.

La présente invention se rapporte à un test de détection de microorganismes comprenant la mise en oeuvre d'au moins deux marqueurs moléculaires conservés. Généralement les microorganismes sont des bactéries.

De préférence, le test selon l'invention comprend au moins un marqueur conservé pour les bactéries à Gram positif et au moins un marqueur conservé pour les bactéries à Gram négatif.

10

:15

20 .

30

raint in the larger that

Le test selon l'invention est utilisé comme test de diagnostic d'infection bactérienne.

La présente invention se rapporte également à un test d'identification de microorganismes comprenant la mise en oeuvre d'au moins deux marqueurs moléculaires conservés.

De manière particulièrement préférée, les deux marqueurs conservés mis en œuvre dans le test sont PurA et PtsI pour l'identification des bactéries à Gram positif.

De manière préférée, les marqueurs conservés sont sélectionnés parmi les séquences Spy0163, Spy1372 et SpyM03 et Spy1527 pour l'identification des bactéries à Gram positif.

De manière préférée, les marqueurs conservés sont sélectionnés parmi les séquencesHI1576, Ecs0036, yigC et HI0019 pour l'identification des bactéries à Gram négatif.

Alternativement les marqueurs conservés sont choisis parmi les séquences yleA, pgi, carB et yipC pour l'identification des bactéries à Gram négatif.

La figure 1 représente l'amplification du marqueur moléculaire I (pur A) dans une bactérie à Gram-positif.

La figure 2 représente l'amplification du marqueur moléculaire (ptsI) dans une bactérie à Gram-positif.

La figure 3 représente l'amplification du marqueur moléculaire III (SpyM3_0902-SpyM3_0903) dans une bactérie à Gram-positif.

La figure 4 représente les séquences amplifiées du marqueur I (PurA) à partir de différentes bactéries à Gram positif (Enterococcus faecalis, Enterococcus

Lite by the All regions the extra bulliancing to the bull intendigental and experimentally any or they due so the

gallinarum, Enterococcus flavescens, Streptococcus agalactiae, Streptococcus sanguis, Enterococcus faecium, Enterococcus durans, Streptococcus pyogenes, Streptococcus pneumoniae, Streptococcus oralis, Staphylococcus hominis,

Bacillus anthracis, Bacillus cereus, Bacillus megatherium, Enterococcus casseliflavus, Enterococcus raffinosus, Staphylococcus aureus, Staphylococcus epidermidis, Stretpococcus mitis, Streptococcus species, Streptococcus canis, Streptococcus mutans, Streptococcus gordonii, Bacillus species, Bacillus pumilus, Enterococcus villorum, Bacillus thuringensis, Bacillus mycoides, Bacillus 5 weihennstephanensis, Staphylococcus haemolyticus, Staphylococcus saprophyticus, Bacillus subtilis, Listeria monocytogenes, Lactococcus lactis. La figure 5 représente les séquences amplifiées du. marqueur moléculaire II (ptsI) à partir des bactéries à Gram positif et de quelques bactéries à Gram-négatif 10 (Bacillus anthracis, Bacillus cereus, Listeria monocytogenes, Streptococcus pneumoniae, Streptococcus pyogenes, Streptococcus agalactiae, Streptococcus mutans, Enterococcus flavescens, Staphylococcus aureus, Staphylococcus epidermidis, Bacillus thuringensis, Staphylococcus hominis, Enterococcus faecium, Clostridium perfringens, Bacillus mycoides, Streptococcus oralis, 15 Enterococcus hirae, Enterococcus avium, Staphylococcus saprophyticus, Staphylococcus haemolyticus, Enterococcus flavescens, Enterococcus casseliflavus, Enterococcus gallinarum, Enterococcus raffinosus, Enterococcus villorum, Clostridium difficile, Streptococcus mitis, Bacillus halodurans, Bacillus weihenstephanensis, Streptococcus species, Streptococcus gordonii, Streptococcus canis, Bacillus pumilus, Bacillus speciesLactococcus lactis, Bacillus firmus, 20 Haemophilus influenzae, Streptococcus bovis, Enterococcus durans, Streptococcus sanguis, Escherichia coli, Serratia liquefasciens, Proteus mirabilis, Proteus vulgaris La figure 6 représente les séquences amplifiées du marqueur moléculaire III (SpyM 0902 & SpyM 0903) à partir de bactéries à Gram positif (Streptococcus pyogenes, Streptococcus oralis, Streptococcus faecalis, Streptococcus agalactiae, 25 Streptococcus pneumoniae, Enterococcus durans, Streptococcus anthracis, Bacillus cereus, Streptococcus mutans La figure 7. représente les séquences amplifiées du marqueur moléculaire IV ("putative GTP-binding factor plus 160 nt downstream") à partir de bactéries à Gram positif (Listeria monocytogenes, Listeria innocua, Bacillus cereus, Bacillus anthracis, Staphylococcus aureus, Staphylococcus epidermidis, Bacillus subtilis, Streptococcus mutans, Streptococcus pneumoniae, Streptococcus agalactiae, Streptococcus pyogenes, Enterococcus faecalis, Lactococcus lactis. La figure 8 représente l'amplification du marqueur moléculaire IV (pgi) dans des bactéries à Gram-négatif (Pseudomonas aeruginosa, Pseudomonas diminuta,

30

Stenotraophoma maltophilia, Pseudomonas pseudoalcaligenes, Burkholderia cepacia, Pseudomonas putida, Pseudomonas syringae, Providencia stuartii, Proteus mirabilis, Proteus vulgaris, Citrobacter freundii, Enterobacter aerogenes, Klebsiella oxytoca, Klebsiella pneumoniae, Haemophilus influenzae, Leigonella

5 pneumophila, Serratia liquefasciens, Serratia marcescens).

La figure 9 représente l'amplification du marqueur moléculaire V (carB) dans des bactéries à Gram-négatif.

La figure 10 représente les séquences amplifiées du marqueur moléculaire IV (pgi) à partir de diverses bactéries à Gram négatif (Citrobacter freundii, Klebsiella

pneumoniae, Klebsiella oxytoca, Escherichia coli, Serratia marcescens).

La figure 11 représente les séquences amplifiées du marqueur moléculaire V (carB) à partir de diverses bactéries à Gram négatif (Neisseria gonorrhoeae, Serratia marcescens, Citrobacter freundii, Enterobacter aerogenes, Enterobacter cloacae, Morganella morganii, Escherichia coli, Proteus mirabilis, Proteus

vulagaris, Neisseria meningitidis, Klebsiella oxytoca, Legionella pneumophila, Morganella morganii).

La figure 12 représente le marqueur moléculaire VI (yigC) dans des bactéries à Gram négatif (Pseudomonas aeruginosa, Pseudomonas syringae, Bordetella parapertussis, Neisseria meningitidis, *Shigella flexneri, Escherichia coli K12*,

Escherichia coli O157:H7, Bordetella bronchiseptica, Bordetella pertussis).

La figure 13 représente le marqueur moléculaire VII (protéine yleA hypothétique) dans des bactéries à Gram négatif (Haemophilus influenzae, Pasteurella multocida, Haemophilus ducreyi, Vibrio parahaemolyticus, Yersinia pestis, Salmonella typhimurium, Vibrio cholerae, Escherichia coli K12, Escherichia coli O157:H7,

25 Pseudomonas aeruginosa).

Exemples

30

35

<u>Exemple 1</u>: Caractérisation des marqueurs moléculaires des gènes permettant l'identification des bactéries à Gram positif

La liste des bactéries Gram-positif utilisées dans les étapes de validation (étude de spécificité du marqueur) est reprise dans le tableau 1A.

Les séquences suivantes ont été sélectionnées pour servir de marqueurs moléculaires permettant une identification multigénotypiques :

a) La séquence Spy0163 de Streptococcus pyogenes (accession number : AE006485.1; de la position 3201 à 4030) est le premier marqueur utilisé. Il s'agit d'une séquence faisant partie d'un cadre de lecture ouvert homologue

au gène pur A. La protéine pur A joue un rôle important dans la synthèse de novo des purines par les bactéries. Elle catalyse la synthèse de l'adénylosuccinate à partir de l'inosine monophosphate (IMP) et de l'aspartate, en utilisant de l'énergie fournie par le GTP. Les premiers essais d'alignement ont montré qu'il existait chez quelques bactéries Gram-positif des séquences montrant un très grand pourcentage d'identité avec la séquence Spy0163. Une séquence similaire dans toutes les bactéries à Gram-positif a été mise en évidence par amplification PCR.

- b) Le deuxième marqueur utilisé pour l'identification multigénotypique est la séquence SPy1372 de Streptococcus pyogenes (accession n° AE004092, de la position 1139277 à 1141010). Il s'agit d'un gène codant probablement pour une enzyme faisant partie du système de transport de sucre dans la bactérie. En effet, ce gène est un homologue du gène ptsI de Staphylococcus aureus codant pour une phosphoenol pyruvate phosphatase (accession n° NC_002758, de la position 1137273 à 1138991). Ce gène fait partie de l'opéron PTS (phosphotransferase system) qui comprend plusieurs gènes codant pour des protéines impliquées dans l'importation des sucres par les bactéries (Plumbridge, 2002). Le produit du gène ptsI est une protéine appelée Enzyme I, laquelle peut être phosphorylée par le phosphoenol pyruvate. L'Enzyme I phosphorylée peut alors céder son groupement phosphate à une autre protéine du groupe PTS dans une cascade aboutissant à une entrée de glucose dans le périplasme bactérien (Stentz et al, 1997).
- c) Le troisième marqueur utilisé est la séquence SpyM3_0902 qui se continue avec SpyM3_0903 de Streptococcus pyogenes MGAS315 (accession n° AE014154), de la position 40670 à 41160. C'est une séquence située en aval du gène codant pour l'alpha-hélicase. Elle correspond à un cadre de lecture pouvant coder pour une protéine hypothétique.
- d) Le quatrième marqueur utilisé est la séquence Spy1527 de Streptococcus pyogenes de la position 1201 jusqu'à la position 2464), plus le fragment comportant la succession de nucléotides 2465 à 2625 (accession n° AE006586). La séquence Spy1527 correspond au gène typA, codant pour une probable GTP- protéine de liaison, tandis que le fragment allant de 2465 à 2625 ne correspond à aucun cadre de lecture ouvert connu. Il s'agit d'une séquence non codante.

L'analyse des quelques génomes complets existants nous montre qu'il existe des séquences homologues dans la plupart de ces derniers.

Une phase de validation préliminaire sur des souches de référence, complétée par l'analyse de plusieurs centaines de souches cliniques fournies par divers hôpitaux a été effectuée. La conservation des cibles choisies (purA et ptsI) a été confirmée dans le génome de toutes les souches de référence et des cliniques. Cette analyse confirme la très faible variabilité génomique des ces séquences au sein d'une même espèce Cet élément est un élément déterminant pour l'utilisation de ces marqueurs dans une stratégie d'identification multigénotypique des bactéries Gram-positif.

5

10

15

20

25

<u>Exemple 2</u>: Caractérisation des marqueurs moléculaires des gènes permettant l'identification des bactéries à Gram négatif

La liste des bactéries à Gram négatif étudiées est reprise dans le tableau 1B.

Les séquences suivantes ont été sélectionnées pour servir de marqueurs moléculaires permettant une identification multigénotypique des bactéries Gramnégatif:

- a) La séquence HI1576 de Haemophilus influenzae, correspondant au gène codant pour la phophoglucose isomérase (accession n° U32831, de la position 12660 à 13991), une enzyme intervenant dans le métabolisme glucidique, notamment au niveau de la glycolyse (Morris J.G, 2001).
- b) La séquence Ecs 0036 de Escherichia coli O157:H7 (accession n° AP002550; de la position 35200 à 36200). Cette séquence coderait pour la large unité de la carbamoyl-synthétase, une enzyme qui catalyse la synthèse de carbamoyl phosphate à partir de la glutamine, du bicarbonate et de deux molécules d'ATP via un mécanisme réactionnel qui nécessite plusieurs étapes successives (Raushel et al, 2001). Le carbamoyl-phosphate ainsi synthétisé intervient dans la synthèse de novo des bases pyrimidiques dans la bactérie (Minic et al, 2001).
- c) La séquence yigC de la bactérie Escherichia coli K12 (accession n° NC_000913; de la position 4022578 à 4024071). La protéine pour laquelle code ce gène n'est pas connue. Il pourrait s'agir d'une flavoprotéine réductase, si l'on se base sur la déduction faite à partir de la séquence nucléotidique du gène. La recherche dans des banques d'ADN nous a

permis de constater que certaines bactéries avaient des séquences homologues à cette séquence.

d) La séquence HI0019 de Haemophilus influenzae (accession n° U32687, de la position 7501 à 8550). Il s'agit d'une séquence présentant toutes les caractéristiques d'une séquence codante, mais dont le produit possible ne ressemble à aucune protéine connue. Cette séquence est probablement homologue du gène de l'hypothetical protein yleA de Pasteurella multocida (accession n° AF23940) dont la fonction est tout aussi inconnue.

5

10

15

20

25

30

Sur base des alignements théoriques réalisés à partir de séquences disponibles dans les banques d'ADN, des amorces dégénérées ont été définies, afin de permettre l'amplification d'une séquence homologue présente dans d'autres microorganismes à Gram-négatif (table 2). L'amplification PCR s'est effectuée dans des conditions de faible stringence (figures 3 à 7).

Pour l'amplification PCR, 10 nanogrammes d'ADN génomique pour de chaque espèce bactérienne étudiée ont été ajoutés dans 50 μL de mélange PCR contenant 10 mM TrisHCl pH 9, 2.5 mM MgCl₂, 50 mM KCl, 0.1% Triton X-100 (v/v), 300 nM de chacune de deux amorces utilisées, 0.25 mM de chaque desoxyribonucleotide triphosphate (Roche Diagnostics, Mannheim, Germany), 2.5 U de Taq Polymerase Expand High Fidelity (Roche Diagnostics, Mannheim, Germany). Le programme de la PCR ainsi que les diverses températures d'hybridation de la PCR sont repris dans le tableau 2.

Les amplifications PCR ont été faites en incubant les tubes dans des machines Mastercycler gradient (Perkin Elmer) Une phase initiale d'activation de la Taq Expand High Fidelity (94°C pendant 3 minutes) était suivie par 35 cycles (94°C pendant 40 s, température d'hybridation étant inférieure de 5 à 10 °C à la température de fusion (voir tableau 2) pendant 50 s, une élongation 72°C pendant 1 minute avec un incrément de 5 secondes après chaque cycle PCR ainsi que par une extension finale de 10 minutes à 72°C après les cycles PCR. Les produits d'amplification obtenus avec les divers couples d'amorces sont visualisés après migration sur un gel d'agarose 2% colorés avec du bromure d'éthidium et visualisés sur un appareil UV.

La présente invention permet de détecter la présence de bactéries dans des échantillons humains, animaux et de l'environnement et en même temps d'identifier ces bactéries.

La présente invention permet une identification par analyse du pattern des hybridations de plusieurs marqueurs moléculaires. L'identification repose sur l'existence concomitante des signaux de plusieurs marqueurs d'une espèce donnée. L'invention consiste donc à fournir un résultat de génotypage bactérien à la fois Gram-spécifique, genre-spécifique et espèce-spécifique comportant un pouvoir de discrimination.

La méthode selon l'invention offre une discrimination meilleure que les méthodes d'identification monogénique. La méthode selon l'invention permet l'identification moléculaire des espèces de *Bacillus*, dont notamment le *Bacillus anthracis*, lesquelles ne peuvent pas être distinguées grâce aux séquences des gènes ribosomiaux 16S rDNA (La Scola et al, 2003). Le tableau 3 résume les résultats obtenus pour les *Bacillus*. Il montre clairement l'apport de l'utilisation de plusieurs marqueurs moléculaires dans l'identification des espèces, et dans la discrimination entre souches différentes au sein d'une même espèce.

La présente invention fournit un outil diagnostique bactérien basé sur l'utilisation conjointe de plusieurs marqueurs génétiques conservés pour la détection Gramspécifique et l'identification genre-, espèce-, et également souche-spécifique.

La présente invention fournit un test pour un diagnostic rapide et multigénotypique et permet le typage selon le phénotype Gram pour l'initiation rapide d'une antibiothérapie appropriée. Les test de l'invention comprend une microplaque comportant plusieurs sets de sondes de capture, chaque set de sondes étant dérivé des gène cibles identifiés et de leur caractéristique qui en font des cibles Gram-, genre- ou espèce- spécifiques.

Plusieurs sets de sondes de capture (chaque set dérivant d'une séquence cible conservée, et chaque set caractérisant préférentiellement les bactéries selon le phénotype Gram) peuvent être liés de façon covalente sur un support solide ou directement synthétisé sur le support. Alternativement, les mêmes marqueurs peuvent être séquencés pour l'identification des genres et des espèces.

The property of the section of the s

Tableau 1A. Bactéries étudiées à Gram positif

Bactérie	Référence
Bacillus anthracis	CODA-CERVA
Bacillus cereus	ATCC 14579
Bacillus cereus	ATCC 10987

30

25

5

10

15

	•
Bacillus megatherium	MDN
Bacillus subtilis	MDN
Bacillus pumilus	MDN
Bacillus firmus	MDN
Bacillus species	MDN
Bacillus thuringensis serovar	4Q2-72
israelensis	
Bacillus thuringensis serovar	T03A016 (HD-1)
kurstaki	,
Bacillus weihenstephanensis	WSBC10204
Bacillus mycoides	MYC003
Bacillus mycoides	NRRL NRS306
Clostridium perfringens	DSMZ 756
Clostridium difficile	DSMZ 1296
Listeria monocytogenes	DSMZ 20600
Enterococcus casseliflavus	DSMZ 20680
Enterococcus faecalis	DSMZ 2570
Enterococcus faecium	DSMZ 6177
Enterococcus flavescens	DSMZ 7370
Enterococcus gallinarum	DSMZ 20628
Enterococcus durans	DSMZ 20633
Enterococcus raffinosus	DSMZ 75633
Enterococcus avium	DSMZ 20679
Enterococcus villorum	CODA-CERVA
Listeria monocytogenes	DSMZ 20600
Streptococcus agalactiae	DSMZ 2134
Streptococcus bovis	DSMZ 20480
Streptococcus canis	DSMZ 20386
Streptococcus gordonii	DSMZ 6777
Streptococcus mitis	DSMZ 12643
Streptococcus oralis	DSMZ 20627
Streptococcus sanguis	DSMZ 20567
Staphylococcus aureus	ATCC 35884
Staphylococcus epidermidis	ATCC 14990
	i !

Staphylococcus haemolyticus	ATCC 29970
Staphylococcus hominis	ATCC 27844
Staphylococcus saprophyticus	ATCC 15305

Tableau 1B:. Bactéries étudiées à Gram négatif

Bactérie	Référence
Acinetobacter baumanii	ATCC 19606
Bulkholderia cepacia	ATCC 17770
Citrobacter freundii	DSMZ 30039
Enterobacter aerogenes	ATCC 13048
Enterobacter cloacae	ATCC 13047
Escherichia coli MRE-600	ATCC 29417
Haemophilus influenzae	DSMZ 9999
Klebsiella pneumoniae	ATCC 13883
Klebsiella oxytoca	ATCC 43863
Legionella pneumophila	DSMZ 7513
Moraxella catarrhalis	DSMZ 11994
Morganella morganii	ATCC 25830
Neisseria gonorrhoeae	DSMZ 9188
Neisseria meningitidis	DSMZ 10036
Proteus mirabilis	ATCC 29906
Proteus vulgaris	ATCC 13315
Providencia stuartii	ATCC 29914
Pseudomonas aeruginosa	DSMZ 50071
Pseudomonas syringae	ATCC 39254
Pseudomonas putida	ATCC 12633
Pseudomonas alcaligenes	ATCC 14909

Pseudomonas stuzeri	ATCC 17588
Serratia marcescens	ATCC 13880
Serratia liquefasciens	ATCC 27592
Stenotrophomonas maltophilia	ATCC 13637

Tableau 2 : amorces dégénérées utilisées pour l'amplification des bactéries

Tableau 2.1 : Séquence cible : homologues de Spy0160 (gène purA) dans une bactérie à Gram négatif

Amorces	Séquence	Tm	Tm durant la PCR	taille de
				l'amplicon
GRP1-S	5'-YTHTTYGAAGGDGCDCAAGG-3'	61°C	50°C	585 pb
GRP1-AS	5'-GRYCWGGMCCWACTGAGAA-3'	59°C	300	303 po

5 Tm = température

Pb=paire de bases

Tableau 2. 2. Séquence cible : Homologues de Spy1372 (géne pstI) dans une bactérie à Gram-positif

Amorces	Séquence	Tm	Tin durant la PCR	Taille de
-				l'amplicon
GRP2-S	5'-CCNGCCATYTCWCCRCACAT-3'	63°C	50°C	443 pb
GRP2-AS	5'-AMGARATGAAYCCRTTCYTDGG-3'	64°C	30 0	775 po

Tableau 2. 3. Séquence cible : Homologues de SpyM3_0902 & SpyM3_0903 dans une bactérie à Gram-positif

Amorces	Séquence		Tm durant la	Taille de
		,	PCR	l'amplicon
GRP3-S	5'-GACGGAMYTCTGGAGAGACC-3'	57°C	48°C	environ 600 pb
GRP3-AS	5'- GCRTAYTTDGTDGCCATWCCAAA-3'	59°C	70 0	chiving out po

Tableau 2. 4. Séquence cible : Homologues de Spy1527 (gène typA) plus les 160 paires de bases au delà du gène dans une bactérie à Gram-positif

amorces	Séquence	Tm	Tm durant la PCR	taille de
			·	l'amplicon
GRP4-S	5'GARCGTATYATGAAAATGGT-3'	57°C	45°C	885 pb
GRP4-AS	5'-CATDCCYTCAGDCKCAT-3'	59°C	75 0	003 po

Tableau 2. 5. Séquence cible : Homologues de HI1576 (gène de la glucose-6-phosphate isomérase) dans une bactérie à Gram-négatif

amorces	Séquence	Tm	Tm durant la PCR	taille de
				l'amplicon
GN-1-S	5'- TGGGTYGGYGGYCGTTACT-3'	63°C	50°C	
GN-1-AS	5'- TCGGTYTGNGCRAAGAAGTT-3'	64°C		

Tableau 2. 6. Séquence cible : Homologues de Ecs0036 (Carb-P, large sous unité

5 du gène) dans une bactérie à Gram-négatif

amorces	Séquence	Tm	Tm durant la PCR	taille de
				l'amplicon
GN-2-S	5'-CSACNATYATGACYGAYCC-3'	63°C	· 50°C	dq
GN-2-AS	5'-TCCATYTCRTAYTCYTTCCA-3'	64°C	, ,50 0	po

Tableau 2. 7. Séquence cible : Homologues de YigC dans une bactérie à Gramnégatif

amorces	Séquence	Tm	Tm durant la PCR	taille de
				l'amplicon
GN-3-S	5'- AAYTTGGTRTACATRAACTG -3'	63°C	50°C	pb
GN-3-AS	5'-RVTGATYATGCGYTGGCT-3'	64°C	30 0	

Table 3. Utilisation de plusieurs marqueurs moléculaires pour l'identification d'espèces de Bacillus

•		Т		7	
•	marqueur	} _		В.	
	moléculaire	B. cereus	B. cereus	thuringiensis	B. anthracis
souche de bactérie		10987	14579	israelensis	
	Marqueur III		8	29	29
B. cereus 10987	Marqueur I	}	1	23	21
D. Celeus 10967	Marqueur II	7	2	3	11
	16S		0	0	ND
	Marqueur III	8		32	31
B. cereus 14579	Marqueur I	1		22	20
D. Celeus 143/9	Marqueur II	2		5	13
	16S	0		0	
B. thuringiensis 4Q2-	Marqueur III	29	32		12
72	Marqueur I	23	22		30
israelensis	Marqueur II	3	5		12
1STACICIISIS	16S	0	0		
B. anthracis					
	Marqueur III	29	31	12	
	Marqueur I	21	20	30	,
	Marqueur II	11	13	12	
	16S	ND	ND	ND	

15

20

Le marqueur I représente la séquence Spy0163.

Le marqueur II représente la séquence Spy1372.

Le marqueur III représente la séquence SpyM3_0902 and Spy M3_0903.

Le tableau 3 montre le nombre de différences de bases entre les divers Bacilles (espèces et souches).

Le nombre donné indique le nombre de nucléotides modifiés dans l'amplicon amplifiés de ces marqueurs (environ 600 paires de bases).

L'ADN 16 S ribosomal n'est pas relevant pour identifier les espèces de Bacillus, puisqu'il n'y a peu (si pas) de différence dans les séquences.

La combinaison des marqueurs permet une différentiation claire entre les espèces ND = non determiné

Bibliographie

1. Brakstad OG, Aasbakk K, and Maeland JA. 1992. Detection of Staphylococcus aureus by polymerase chain amplification of the nuc gene J Clin Microbiol. 32:1768-1772.

- 2. Giannino V, Santagati M, Guardo G, Cascone C, Rappazzo G, Stefani S. Conservation of the mosaic structure of the four internal transcribed spacers and localisation of the rrn operons on the Streptococcus pneumoniae genome. FEMS Microbiol Lett. 2003;223:245-252.
- 3. Gurtler V and Stanisich VA. New approaches to typing and identification of bacteria using the 16S-23S rDNA spacer region. Microbiology. 1996;142:3-16.

10

15

20

25

30

35

40

- 4. Hamels S, Gala JL, Dufour S, Vannuffel P, Zammatteo N, Remacle J. Consensus PCR and microarray for diagnosis of the genus Staphylococcus, species, and methicillin resistance. Biotechniques. 2001 Dec;31(6):1364-6, 1368, 1370-2.
- 5. Irenge LM, Bouyer M., Gala JL. Rapid detection and discrimination between gram-positive and gram-negative bacteria by duplex PCR in clinical specimens. In *process*
- 6. Jonas D, Spitzmuller B, Weist K, Ruden H, Daschner FD. Comparison of PCR-based methods for typing Escherichia coli. Clin Microbiol Infect. 2003;9:823-831.
 - 7. Klaschik S, Lehmann LE, Raadts A, Book M, Hoeft A, Stuber F. Real-time PCR for detection and differentiation of gram-positive and gram-negative bacteria. J Clin Microbiol. 2002; 40:4304-4307.
 - 6. La Scola B, Zeaiter Z, Khamis A, Raoult D. Gene-sequence-based criteria for species definition in bacteriology: the Bartonella paradigm. Trends Microbiol. 2003;11:318-321.
 - 8. Minic Z, Simon V, Penverne B, Gaill F, Hervé G. Contribution of the Bacterial Endosymbiont to the Biosynthesis of Pyrimidine Nucleotides in the Deep-sea Tube Worm *Riftia pachyptila*. J. Biol. Chem. 2001, 276: 23777-23784.
 - 9. Morris J.G. Vital energy for bacteria growth and reproduction in Molecular Medical Microbiology pp 242; Academic Press, 2001.
 - 10. Palomares C, Torres MJ, Torres A, Aznar J, Palomares JC. 2003. Rapid detection and identification of Staphylococcus aureus from blood culture specimens using real-time fluorescence PCR. Diagn Microbiol Infect Dis. 45:183-189.
 - 11. Plumbridge J. Regulation of gene expression in the PTS in Escherichia coli: the role and interactions of Mlc. Curr Opin Microbiol. 2002;5:187-193.
 - 12. Raushel FM, Thoden JB, Reinhart GD. Carbamoyl phosphate synthetase: a crooked path from substrates to products. Curr Opin Chem Biol. 1998;2:624-632.
 - 13. Stentz R, Lauret R, Ehrlich D, Morel-Deville F and Zagorec M. Molecular cloning and analysis of the ptsHI operon in Lactobacillus sake. Appl Environ Microbiol. 1997;63:2111-2116
 - 14. Vannuffel P, Laterre PF, Bouyer M, Gigi J, Vandercam B, Reynaert M, Gala JL Rapid and specific molecular identification of methicillin-resistant Staphylococcus aureus in endotracheal aspirates from mechanically ventilated patients. J Clin Microbiol, 1998; 36:2366-2368.
 - 15. Xu J, Rao JR, Millar BC, Elborn JS, Evans J, Barr JG, Moore JE. Improved molecular identification of Thermoactinomyces spp. associated with mushroom worker's lung by 16S rDNA sequence typing. J Med Microbiol. 2002;51:1117-1127.

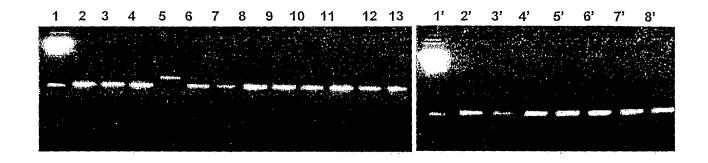
REVENDICATIONS

15

20

- 1. Test de détection de microorganismes caractérisé en ce qu'il comprend la mise en oeuvre d'au moins deux marqueurs moléculaires conservés.
- 5 2. Test selon la revendication 1 caractérisé en ce que les microorganismes sont des bactéries.
 - 3. Test selon la revendication 2 caractérisé en ce qu'il comprend au moins un marqueur conservé pour les bactéries à Gram positif et au moins un marqueur conservé pour les bactéries à Gram négatif.
- 4. Test de diagnostic d'infection bactérienne caractérisé en ce qu'il contient un test selon l'une quelconque des revendications précédentes.
 - 5. Test d'identification de microorganismes caractérisé en ce qu'il comprend la mise en oeuvre d'au moins deux marqueurs moléculaires conservés.
 - 6. Test selon l'une quelconque des revendications 2 à 5 caractérisé en ce que les marqueurs conservés sont sélectionnés parmi les séquences Spy0163, Spy1372, SpyM03 et Spy1527 pour l'identification des bactéries à Gram positif.
 - 7. Test selon l'une quelconque des revendications 2 à 5 caractérisé en ce que les
 - marqueurs conservés sont sélectionnés parmi les séquences HI1576, Ecs0036, yigC et HI0019 pour l'identification des bactéries à Gram négatif.
 - 8. Test selon l'une quelconque des revendications 2 à 5 caractérisé en ce que les
 - marqueurs conservés sont sélectionnés parmi les séquences yleA, pgi, carB et yipC pour l'identification des bactéries à Gram négatif.

Figure 1.'Amplification du marqueur moléculaire I (pur A) dans une bactérie à Gram-positif



- 1 = échelle ADN (λ /Hind III)
- 2 : Streptococcus pyogenes raffinosus
- 3. Streptococcus penumoniae
- 4. Streptococcus oralis
- 5. Enterococcus hirae
- 6. Enterococcus casseliflavus hominis
- 7. Streptococcus agalactiae
- 8. Streptococcus sanguis
- 9. Enterococcus faecalis
- 10. Enterococcus gallinarum
- 11. Enterococcus faecium
- 12. Enterococcus flavescens
- 13. Enterococcus durans

1': échelle ADN (λ/Hind III)

2': Enterococcus

3': Enterococcus villorum

4': Staphylococcus aureus

5': Staph. epidermidis

6': Staphylococcus

7': Bacillus anthracis

8': Bacillus cereus

9': Bacillus megatherium

Figure 2. Amplification du marqueur moléculaire (ptsI) dans une bactérie à Gram-positif

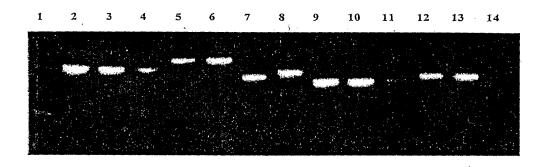


L = échelle ADN (123 bp)

- 1. Bacillus anthracis
- 2. Bacillus cereus
- 3. Listeria moniocytogenes
- 4. Bacillus subtilis
- 5. Streptococcus pneumoniae
- 6. Streptococcus pyogenes
- 7. Streptococcus agalactiae
- 8. Streptococcus mutans
- 9. Enterococcus faecalis
- 10. Staphylococcus aureus
- 11. Staphylococcus epidermidis
- 12. Bacillus thuringensis
- 13. Staphylococcus hominis
- 14. Enterococcus faecium
- 15. Clostridium perfringens
- 16. Bacillus mycoides
- 17. contrôle négatif

18. contrôle négatif

Figure 3. Amplification du marqueur moléculaire III (SpyM3_0902- SpyM3_0903) dans une bactérie à Gram-positif



- 1. échelle ADN
- 2: Streptococcus pyogenes
- 3. Streptococcus pneumoniae
- 4. Enterococcus faecalis
- 5. Streptococcus agalactiae
- 6. Streptococcus sanguis
- 7. Enterococcus casseliflavus
- 8. Streptococcus oralis
- 9. Bacillus anthracis
- 10.Bacillus cereus
- 11. Enterococcus raffinosus
- 12. Enterococcus gallinarum
- 13. Enterococcus flavescens
- 14. contrôle négatif de PCR.

Figure 4 : Marqueur I (PurA) séquences amplifiées à partir de différentes bactéries à Gram positif

Enterococcus faecalis

CTATTTGAAGGGCGCAAGGTGTCATGTTGGATATCGATCAAGGAACCTATCCATTTGT
TACTTCCTCTAATCCAGTAGCTGGTGGCGTAACTATCGGTAGTGGCGTTGGTCCATCA
AAAATTAATAAAGTGGTTGGTGTCTGCAAAGCGTACACTTCACGTGTCGGTGACGGCC
CATTCCCAACAGAATTATTTGATGAAACAGGAGAAACCATTCGTCGTGTCGGTAAAGA
ATACGGAACAACAAGGACGTCCGCGTCGTGTCGGTTTGATTCAGTAGTCATG
CGTCATTCAAAACGTGTATCAGGGATTACAAACTTGTCATTAAACTCGATTGACGTGT
TAAGTGGTTTAGAAACGGTGAAAATTTGTACAGCTTATGAACTTGATGGTGAATTAAT
TTATCATTATCCAGCAAGCTTGAAAGAATTAAGCCGCTGTAAACCAGTTTATGAAGAA
TTACCAGGTTGGTCTGAAGATATCACTGGTTGCAAAACTTTAGCCGATTTACCAGCTA
ATGCTCGTAACTATGTGCATCGGATTTCAGAATTAGTTGGTGTGCGCATTTCAACATT
CTCAGTAGGGCCAGACC

Enterococcus gallinarum

Enterococcus flavescens

 $\tt CTTTTTGAAGGTGCTCAAGGCGTGATGCTGGATATCGACCAAGGAACCTATCCTTTCG\\ TGACATCATCCAACCCCGTTGCTGGGGGGAGTCACTATTGGTAGTGGTGTGGGTCCTTC\\ \\$

Streptococcus agalactiae

Streptococcus sanguis

Enterococcus faecium

TTCTTCGAAGGGGCGCAAGGGGTTATGCTGGATATTGACCAAGGGACTTATCCATTTG
TAACTTCTTCTAATCCAGTTGCAGGGGAGTCACCATCGGTTCCGGTGTTGGTCCGAGC
AAAATTGACAAGGTAGTTGGTGTCTGCAAGGCCTACACCAGTCGGGTCGGAGATGGAC
CATTCCCAACAGAGCTTTTTGATGAAGTTGGTGACCGCATTCGTGATATCGGCCACGA
ATATGGCACTACCACTGGTCGCCCACGTCGGGTAGGTTTGACTCGGTTGTTATG
CGCCATAGCCGCCGTGTATCAGGGATTACCAATCTTTCGCTTAACTCCATCGATGTCT
TGAGTGGTCTGGATACAGTGAAAATCTGTGTAGCTTATGACTTGGATGGCCAAAGAAT
CGACCACTACCCAGCTAGTCTGGAACAGCTCAAGCGCTGCAAGCCGATTTACGAAGAG
CTGCCAGGCTGGTCAGAGGACATCACTGGAGTCCGCAGTCTGGAAGACTTGCCAGAAA
ATGCCCGTAACTATGTTCGCCGAGTGAGTGAGCTGGTTGGCGTTCGCATTTCTACCTT
NCTCAGTAGGGCCAGACC

Enterococcus durans

Streptococcus pyogenes

CTATTTGAAGGGGCACAAGGGGTTATGCTTGATATTGACCAGGAACGTACCCATTTGT
AACGTCTTCAAACCCAGTTGCTGGTGGTGTAACCATTGGTTCTGGTGTTGGCCCAAAT
AAAATCAACAAAGTAGTTGGTGTCTGTAAAGCCTACACAAGCCGTGTCGGTGATGGGC

Streptococcus pneumoniae

Streptococcus oralis

CTTTTCGAAGGTGCGCAAGGTGTCATGTTGGACATTGATCAAGGGACTTATCCATTTG
TTACTTCTTCAAACCCTGTCGCTGGTGGTGTGACGATTGGGTCTGGTGTTGGTCCAAG
TAAGATTGACAAGGTTGTAGGTGTCTGTAAAGCCTACACAAGTCGTGTAGGAGATGGA
CCGTTCCCAACTGAATTATTTGATGAAGTGGGAGATCGCATCCGTGAAGTAGGTCATG
AATATGGTACAACAACTGGTCGTCCACGTCGTGTGGGTTTGACTCAGTTGTGAT
GCGTCACAGCCGCCGTGTATCTGGGATTACCAATCTTTCATTGAACTCTATAGATGTT
TTGAGTGGTTTGGATACTGTGAAAATCTGTGTCGCCTATGATCTTGATGGTCAACGTA
TTGATTACTATCCTGCTAGTCTTGAGCAGTTGAAACGTTGTAAGCCCAATCTACGAGGA
ATTGCCAGGTTGGTCAGAAGACATCACTGGAGTCCGTAATTTGGAAGACCTTCCTGAG

Staphylococcus hominis

Bacillus anthracis

Bacillus cereus

AAATTCGTGAAGTTGGTCGCGAGTATGGAACGACAACTGGTCGTCCACGCCGCGTAGG
TTGGTTCGATAGCGTTGTTGTAAGACATGCACGTCGTGTTAGTGGTTTAACGGATCTA
TCATTAAATTCTATCGACGTTTTAACAGGTATTCCAACTCTTAAAATTTGTGTAGCTT
ACAAATACAATGGCGAAGTTATTGATGAAGTTCCAGCTAACTTAAACATTTTAGCGAA
ATGTGAGCCTGTATATGAAGAGCTTCCAGGTTGGGAAGAAGATATTACTGGTGTAAAA
TCATTAGATGAACTTCCTGAAAATGCACGAAAATACGTAGAACGTGTTTCTGAGTTAA
CAGGAATTCAAATATCTATGTTCTCAGTAGGTCCCCACCA

Bacillus megatherium

Enterococcus casseliflavus

. .

Enterococcus raffinosus

Staphylococcus aureus

Staphylococcus epidermidis

ACGTCATTCACGTCGTGTAAGTGGTATCACAGATCTTTCAATTAACTCAATCGACGTT
TTAACAGGATTAGACACAGTTAAAATTTGTACTGCTTACGAATTAGATGGTGAAAAAA
TTACTGAATACCCAGCAAACTTAGATCAATTAAGACGTTGTAAACCTATCTTCGAAGA
GCTTCCAGGTTGGACTGAAGACATTACAGGTTGTCGTAGTTTAGATGAACTTCCTGAG
AATGCACGTAATTACTTAGAGCGTATTTCAGAATTATGCGGTGTCCATATTTCAATCT
TCTCAGTAGGTCCTGGTC

Stretpococcus mitis

Streptococcus species

ATGGCTTGCTATTGACCAAGGGTACATACCCATTTGTAACATCATCTAACCCAGTCGC
TGGTGGTGTAACAATCGGTTCTGGTGTTGGTCCAAGTAAAATCAACAAAGTTGTCGGT
GTATGTAAAGCCTACACAAGCCGTGTTGGTGACGGACCATTCCCAACTGAACTTTTAG
ACGAAGTTGGTGACCGCATCCGTGAAGTGGGTCACGAATATGGGACAACAACTGGACG
TCCACGTCGTGTTGGTTGGTTTGACTCAGTTGTTATGCGTCACAGCCGCCGCGTATCA
GGTATCACAAACTTGTCACTTAACTCAATTGACGTTCTTTCAGGTCTTGATACGGTCA
AAATCTGTGGGCATACGACCTTGACGGTCAACGTATCGACCACTACCCAGCAAGCCT
TGAACAATTGAAACGTTGTAAACCAATCTACGAAGAATTGCCAGGTTGGTCAGAAGAC
ATCACAGGTTGCCGTAGCCTAGATGAACTTCCCGAAAATGCTCGTGACTACGTTCGCC
GTGTTGGTGAACTCGTTGGTGTTCGCATTTCAACATTCTCAGTTTGGCCCC

Streptococcus canis

TGGCTTGCNATCGACCAAGGTAACTTACCCATTTGTTACTTCTTCAAACCCAGTTGCT
GGTGGGGTAACAATCGGTTCAGGTGTTGGTCCAAGCAAGATCAATAAAGTTGTCGGTG
TATGTAAAGCTTACACAAGCCGTGTTGGTGACGGTCCGTTCCCAACAGAACTTCTAGA
TGAAGTTGGAGATCGTATCCGTGAAATTGGTCACGAATATGGTACAACAACTGGACGT
CCACGTCGTGTTGGTTGGTTTGACTCAGTTGTTATGCGTCACAGCCGCCGCGTATCAG
GTATCACAAACTTGTCACTTAACTCAATCGATGTTCTTTCAGGACTTGATACTGTTAA
AATCTGTGTGGCATACGACCTTGACGGTCAACGTATCGACCACTACCCAGCAAGTCTT
GAACAATTGAAACGTTGTAAACCAATCTACGAAGAATTGCCAGGTTGGTCAGAAGACA
TCACAGGTTGCCGTAGCCTAGATGAACTTCCCGAAAATGCTCGTGACTACGTTCGCCG
TGTTGGTGAACTCGTTGGTGTTCGCATTTCAACATTCTCAGTTGGCCCC

Streptococcus mutans

TATGGCTTGCNATTGACCAAGGTAACCTATCCATTTGTAACTTCATCAAATCCAGTTG
CAGGTGGCGTTACCATCGGATCTGGTGTTGGACCAAGTAAAATCAATAAGGTTGTTGG
TGTCTGCAAAGCCTATACCAGCCGTGTAGGTGATGGTCCTTTCCCCACAGAACTTTTT
GACCAAACGGGAGAGCGCATTCGTGAAGTTGGGCATGAATACGGGACAACAACAGGGC
GTCCGCGTCGAGTTGGTTGGTTTGACTCAGTTGTTATGCGTCACAGCCGCCGTGTATC
AGGCATTACCAATTTATCTCTTAACTGTATTGATGTACTTTCAGGTCTTGATATCGTA
AAAATCTGTGTAGCCTATGATTTGGATGGAAAACGGATTGATCACCCTGCCAGTC
TCGAACAACTCAAACGCTGTAAACCTATTTATGAAGAATTGCCGGGCTGGTCTGAAGA
TATTACAGGGGTTCGCAGTTTAGAAGATCTTCCTGAAAATGCTCGTAATTATGTCCGC
CGTGTAAGTGAATTAGTTGGTGTTCGTATTTCTACTTTCTCAGTNGTCCCC

Streptococcus gordonii

TAATGCTAGCAATTGACCAAGGTACCTATCCATŢTGTAACCTCATCTAATCCAGTTGC
TGGTGGTGTAACGATCGGTTCTGGTGTGGGTCCTAGCAAGATTGACAAAGTAGTGGGT
GTTTGTAAAGCCTATACAAGTCGTGTTGGTGATGGTCCTTTCCCAACAGAGCTTTTCG
ATGAAGTAGGTGACCGCATTCGTGAGGTTGGTCATGAGTATGGTACAACAACAGGACG
TCCGCGTCGAGTTGGTTGGTTTGACTCTGTTGTTATGCGCCATAGCCGCCGTGTATCT
GGGATTACCAATCTTTCGCTTAACTCTATCGATGTTTTGAGCGGTCTGGATACAGTCA
AGATCTGTGTAGCCTATGATTTGGATGGCCAAAGAATCGACCACTATCCAGCTAGTTT
GGGAACAGCTTAAACGTTGTAAGCCGATTTACGAAGAGCTTCCTGGATGGTCTGAAGAT

Bacillus species

Bacillus pumilus

GTTATGCTTGCTATTGATCAAGGGACATATCCATTTGTCACGTCATCTAACCCAGTA
GCTGGAGGAGTGACGATTGGTTCTGGCGTAGGACCAACAAAAATTCAACATGTGGTCG
GCGTGTCAAAAGCGTACACAACACGTGTTGGAGATGGCCCATTCCCGACAGAACTCCA
TGATGAAATTGGCGATCAAATCCGTGAGGTTGGCCGTGAATACGGTACAACAACTGGA
CGTCCGCGCCGTGTTGGCTGGTTTGACAGTGTCGTTGTCCGTCATGCTCGACGTGTGA
GCGGGATTACAGATCTATCTCTTAACTCAATTGATGTACTGACAGGGATTGAAACATT
GAAAATCTGTGTCGCTTATAAATTGAACGGAGAAATCACAGAGGAATTCCCAGCAAGT
CTAAATGAACTAGCGAAATGTGAGCCTGTCTACGAAGAAATGCCAGGATGGACAGAGG
ATATTACAGGCGTGAAGAATTTAAGCGAACTGCCTGAAAATGCCCGTCATTATTTAGA
GCGCATTTCACAATTAACAGGTATTCCACTTTCCATTTTCTCAGTTGNCCCC

Enterococcus villorum

TGGATGGTTTGATACGGTTGTTATGCGCCATTCAAAACGTGTATCAGGTATTACAAAT
TTATCTCTTAATTCGATTGATGTATTAAGCGGATTAGAAACAGTAAAAATTTGTACGG
CCTATGAACTAGATGGTGAGCTGATTTATCATTACCCAGCAAGTTTGAAAGAATTGAA
ACGTTGTAAACCAGTATATGAAGAACTACCTGGATGGTCTGAAGATATTACGAAATGC
AAGACACTTTCTGAATTGCCAGAAAATGCACGTAACTATGTAAGACGTATTTCTGAGC
TTGTAGGTGTACGCATCTCCACATTTCTCAGTGGNCCC

Bacillus thuringensis

Bacillus mycoides

Bacillus weihennstephanensis

Staphylococcus haemolyticus

Staphylococcus saprophyticus

GCAAGGTGTGATGTTAGATATCGACCATGGTACATATCCATTCGTTCATCAAGTAACC
CAGTTGCAGGTAATGTGACTGTCGGTGGCGGTGTAGGTCCAACATTCGTCTCTAAAGT
TATCGGTGTGTGAAAGCCTATACATCACGTGTCGGCGATGGTCCATTCCCAACAGAA
CTATTTGACGAAGATGGGCACCACATCCGTGAAGTAGGTCGTGAATACGGTACAACAA
CAGGACGTCCACGTCGTGTAGGTTCGACTCAGTTGTATTACGTCATTCTCGTCG
TGCAAGTGGTATTACAGATTTATCTATTAACTCAATTGATGTATTAACAGGCCTTAAA
GAAGTTAAAATCTGTACTGCTTATGAGTTAGACGGTAAAGAAATTACGGAATACCCAG
CTAACTTGAAAGACTTACAACGTTGTAAGCCAATTTTTTGAAACATTACCAGGTTGGAC

 $AGAAGATGTGACAGGTTGTCGTTCATTAGAAGAATTACCTAATAATGCGCGTAGATAC\\ TTAGAACGTATTTCTGAATTATGTGACGTGAAGATTTCAATCTTCTCAGTTGGCCC\\$

Bacillus subtilis

Listeria monocytogenes

Lactococcus lactis

TNATGCTTGATATTGACNAGGAACATACCCATTTGTAACTTCTCAAACCCAGTAGCTG GTGGGGTAACGATTGGCTCTGGTGTGGGTCCATCAAAAATTTCAAAAGTTGTTGGTGT TTGTAAAGCCTATACTTCACGTGTGGGTGATGGTCCATTCCCAACAGAACTTTTTGAT GAAGTTGGACATCAAATTCGTGAAGTAGGACATGAATATGGAACAACAACAGGACGTC
CACGTCGTGTTGGTTGACTCAGTCGTAATGCGTCATGCAAAACGTGTTTCTGG
CTTGACAAATCTTAGCTTGAATTCAATTGACGTTCTCTCAGGACTTGAAACAGTAAAA
ATTTGTGTTGCTTACGAACGTAGTAATGGTGAACAAATTACTCATTATCCAGCATCAC
TTAAGGAATTAGCAGATTGCAAACCAATCTATGAAGAATTGCCAGGATGGTCTGAAGA
TATTACTTCATGCCGAACTTTAGAAGAGTTACCAGAAGCTGCTCGTAACTATGTTCGT
CGGGTTGGTGAACTAGTTGGCGTACGTATCTCGACTTTCTCAGTNGTCCCC

Figure 5. Marqueur moléculaire II (ptsI) séquences amplifiées à partir des bactéries à Gram positif et de quelques bactéries à Gram-négatif

Bacillus anthracis

Bacillus cereus

GCCTTCTTTATGAGCAGCATCGATAACCATTTTTACAAGACGTAAAATAGATGGGTTA
TATGGTTGGTATAAGTATGATACTTGTTCGTTCATACGGTCTGCAGCCATTGTGTATT
GGATTAAATCATTTGTTCCGATAGAGAAGAAGTCAACTTCTTTCGCGAATTGATCTGC
TAATACTGCTGAAGCTGGGATTTCAACCATCATACCAACTTCAATAGAATCAGAAACA
GTTGTACCCGCTTCTACAAGTTTCGCTTTCTCTTCTAATAAAATCGCTTTCGCTTGAC
GGAACTCATCAAGAGTTGCAATCATTGGGAACATAATTTTTAAGTTACCGTATACGCT
AGCACGAAGTAATGCACGAAGTTGTGTACGGAACCATCTTGCTCATCAAGACATAAG
CGAATTGCACGGTATCCCAAGAACGGATCATTCTCGTTA

Listeria monocytogenes

Streptococcus pneumoniae

CGCGTGAGCTGCTTTGATCCATTGTTAATCAAGCGTAGGATTGATGGGTTGTATGGTT
GGTAAAGGTATGAAACTTGTTCGTTCATACGGTCTGCCATTGTATATTGGATCAA
GTCATTTGTACCAATTGAGAAGAAGTCAACTTCTTTAGCAAATTGGTCTGCAAGCATA
GCCGCTGCAGGAATCTCGATCATGATACCAACTTGAATGTTATCCGCAACTGCAACAC
CTTCAGCAAGAAGGTTTGCTTTTTCTTCATCAAAGACTGCTTTCGCTGCACGGAATTC
TTTCAAGAGCGCAACCATTGGGAACATGATACGCAATTGACCGTGAACAGACGCACGA
AGAAGAGCACGGATTTGTGTGCGGAACATAGCATCTCCAGTCTCAGAGATAGAGATAC
GAAGAGCACGGAATCCNANGAACGGATCCTTTTTCNTA

Streptococcus pyogenes

Streptococcus agalactiae

Streptococcus mutans

TTTGTACCGATTGAGAAGAAATCAACTTCCTTAGCAAATTGGTCAGCCAACATTGCAG
CTGCAGGAATTTCAATCATGATACCAACTTGGATATCATCTGAAACAGCAACGCCTTC
AGCTTTAAGATTAGCCTTTTCTTCTTCCAGAATACCTTTAGCTTTACGGAACTCATTG
AGCAAAGCTACCATTGGGAACATGATACGCAACTGACCATGAACAGAAGCACGCAAAA
GGGCACGCAACTGTGTGCGGAACATCTGATTGCCTGTTTCTGAGATTGAAATACGAAG
TGCACGAAAACCAAAGAACGGATCATTCTCTTA

Enterococcus flavescens

Staphylococcus aureus

NNCCCNTCTTATGTGACGCTTCAATAACTTGTTTAACTAAACGTAAGATTGAAGGGTT
ATATGGTTGGTATAGATATGATACACGCTCTGACATACGGTCAGCAGCTAATGTGTAT
TGAATTAAATCATTTGTACCGATACTGAAGAAATCTACTTCTTTAGCAAAGACATCAG
CTAATGCTGCTGTTGCAGGTATCTCTACCATGATTCCTAATTCTATATCATCCGAAAT
GTCATGACCTTCATTTTTAAGGTTTTCTTTTTCTTCTAATAATATAGCTTTTTCTTCT
CTAAATTCGTTAATTGTTGCAACCATTGGGAACATGATATTTAACTTACCATAAACTG
ATGCACGTAATAATGCACGTAGCTGTGGTCTGAAAATATCTTGTTGCGCAAGGCATAA
ACGAATCGCACGGTAACCCAAGAACGGATCCNTTNTCCTTAA

Staphylococcus epidermidis

CTTCTTTATGAGAAGCTTCAATAACTTGTTTAACTAATCGTAAAATTGAAGGATTATA
TGGTTGATATAAGTATGAAACTCGTTCAGACATACGGTCAGCAGCTAATGTGTATTGA
ATTAAGTCATTCGTTCCTATACTAAAGAAATCTACTTCTTTAGCAAATACATCAGCAA
GTGCCGCGGTAGCTGGAATTTCAACCATAATACCTAATTCAATATCATCTGAAACTTC
GTAACCTTCGCGAAGAAGATTTTCTTTCTCTTCAAGAAGCATTGATTTAGCGTCACGG

AATTCTTTAATTGTTGCTACCATTGGGAACATAATATTCAATTTCCCATAGACTGAAG
CACGTAGTAATGCACGTAATTGTGGTCTAAAGATTTCCGGCTGTGCTAAACATAAACG
TATCGCACGATAACCCAAGAACGGATCNTTCTNCGTA

Bacillus thuringensis

CTTTATGAGCAGCATCGATAACCATTTTTACAAGACGTAAAATAGATGGGTTATATGG
TTGGTATAAGTATGATACCTTGTTCGTTCATACGGTCTGCAGCCATTGTGTATTTGGATT
AAATCATTCGTTCCGATAGAGAAGAAATCAACTTCTTTCGCGAATTGATCTGCTAATA
CTGCTGAAGCTGGGATTTCAACCATCATACCAACTTCAATAGAATCAGAAACAGTTGT
ACCCGCTTCTACAAGTTTCGCTTTCTCTTCTAATAAAATCGCTTTCGCTTGACGGAAC
TCATCAAGAGTTGCAATCATTGGGAACATAATTTTTAAGTTGCCGTATACGCTAGCAC
GAAGTAATGCACGAAGTTGTGTACGGAACACATCTTGCTCATCAAGACATAAGCGAAT
TGCACGGTATCCCAAGAACGGATCATTCTCNTTA

Staphylococcus hominis

CNCCNNCCTTATGAGGAAGCTTCAATAACCTGTTTAACTAAACGTAAAATTGCTGGAT
TATATGGTTGATATAAATATGAAACACGTTCAGACATACGATCAGCTGCCATAGTATA
TTGAATTAAGTCATTAGTTCCTATACTAAAGAAATCTACTTCTTTAGCAAAGATATCA
GCTAACGCAGCAGTAGAAGGAATCTCTACCATGATACCTACTTCGATATCATCAGCAA
CTTCTTGTCCTTCGCTAGTTAATTTATCTTTTTCTTCTAAAAGAATAGCTTTAGCATC
TCTAAACTCTTTAATAGTAGCTACCATTGGGAACATAATATTTAATTTACCATAAGCA
GATGCGCGTAATAACGCACGTAATTGTGTTCTGAAGATGTCTTGATCTAAGCAC
AACGAATTGCACGATAACCCANGAACGGATTCATNTCNTA

Enterococcus faecium

CGCGTGTGCTGCATCAATTACATTTTTGATCAAACGTAAAATTGATGGGTTATATGGT
TGGTACAAGTAAGAAACGCGTTCGTTCATACGGTCTGCTGCCATTGTGTATTGAATCA
AATCGTTCGTACCTACAGAGAAGAAATCTACTTCTTTTGCAAACTTGTCTGCTAAGAC
TGCTGCTGCTGGAATCTCGATCATGATGCCGACTTGGATCGTATCAGATACTTCCTTG
CCTTCACTGATCAATTTTTGTTTTTCTTCTTCAAAGATCGCTTTTGCTGCGCGGGAATT
CTTTGAGTGTAGCTACCATAGGGAACATGATACGTAAGTTACCATGAACAGATGCACG
AAGCAATGCACGCATTTGTGTACGGAACATTTCGTCGCCCTTGTTCAGATAAACTGATA
CGCAATGCACGATATCCCAAGAACGGATCATTCTCCTTA

Clostridium perfringens

CNTGTTTGTGAGCTCCATCTATTGTCATTTTGATTAATCTTAATACAGCTGGATGCAT
TGGATTGTAAAAGGTATGATACCTTTTCACTCATTCTGTCAGCAGCTAATGTATATTGT
ATTAAATCGTTAGTTCCTATTGAGAAGAAATCAACATGCTTAGCTAATTCATCAGCAT
AAACTGCTGCAGCTGGGATTTCAACCATGATACCCCCATTGAATTGAATCTGAGTATGC
TATACCTTCTGCTTTTAACTCAGCTTTGCATTCTTCAACAAATGCTTTAGCTTGTTGG
AATTCTTCTAATCCTGAAATCATTGGGAACATTACTGCAAGATTTCCATAAACAGAAG
CTCTTAATAAAGCTCTTATTTGAACTCTAAAGATATCTTTTCTGTCTAAGCATAATCT
TATAGCTCTGTATCCCAAGAACGGATCNNTNNTCNTTAA

Bacillus mycoides

CTTTATGAGCAGCATCGATCACCATTTTTACAAGACGTAAAATTGATGGGTTATATGG
TTGGTATAAGTAAGATACACGTTCGTTCATACGGTCTGCAGCCATTGTGTATTGGATT
AAGTCATTTGTTCCGATAGAGAAGAAATCGACTTCTTTTGCGAATTGATCTGCTAATA
CTGCTGAAGCTGGAATTTCAACCATCATACCAACTTCAATAGAATCAGAAACAGTTGT
ACCCGCTTGGACAAGTCTTTCTTTCTCTTCTAATAAAATCGCTTTCGCTTGACGGAAT
TCATCAAGAGTTGCAATCATCGGGAACATAATTTTTAAGTTACCGTATACGCTAGCAC
GAAGTAATGCACGAAGTTGTGTACGGAACACATCTTGTTCTTCAAGGCATAAGCGAAT
TGCACGGTATCCCAAGAACGGATCNTTCTCNTTA

Streptococcus oralis

CNNTTTCCCTTCGCGTGAGCTGCTTTGATAACGTTGTTGATÇAGCGTAGGATTGATGG
GTTGTATGGTTGGTAAAGGTATGAAACTTGCTCGTTCATACGGTCTGCTGCCATTGTG
TATTGGATCAAGTCGTTTGTACCAATTGAGAAGAAGTCAACTTCTTTAGCAAATTGGT
CTGCAAGCATTGCTGCAGGAATTTCGATCATGATACCAACTTGGATATTATCCGC
AACTGCAACACCTTCAGCAAGAAGGTTTGCTTTTTCTTCGTCAAAGACTGCTTTCGCT
GCACGGAATTCTTTCAAGAGCGCAACCATTGGGAACATGATACGTAATTGACCGTGAA
CAGACGCACGAAGAAGAGCACGGATTTGTGTGCGGAACATAGCATCTCCAGTCTCAGA
GATAGAGATACGAAGAGCACGGAATCCNAAGAACGGATCNTTTCTCTTA

Enterococcus hirae

Enterococcus avium

Staphylococcus saprophyticus

TCGTAAGAAGCTTCTATTACTTGTTTTACTAAACGTAATATTGAAGGATTATATGGTT
GATACAAGTAAGAAACACGTTCTGACATTCTATCAGCAGCCATTGTATATTGAATTAA
ATCATTCGTTCCTATACTGAAGAAATCAACTTCTTTAGCAAA,TACATCTGCCAACGCA
GCAGTAGAAGGAATTTCTACCATAATACCAAGTTCGATATCATCAGAAACTTCAATGC
CTTCATTTGTTAAGTTATCTTTTTCTTCAAGTAACAATGCTTTAGCATCACGGAACTC
TTGGATTGTAGCTACCATAGGGAACATGATATTCAATTTACCAAAAGCAGATGCACGT
AATAATGCACGCAACTGTGGTCTGAAAATATCAGGTTGATCTAGGCATAAACGGATAG
CACGGTAACCCAAGAACGGATCATTCTCTTA

Staphylococcus haemolyticus

GAAGCTTCATGACTTGTTTAACCAAGCGTAAAATAGCTGGGTTATAAGGTTGGTATAA GTATGAAACGCGTTCTGACATACGGTCAGCTGCCATAGTATATTGAATTAAATCATTA GTACCAATACTGAAGAAATCCATTTCTTTAGCAAAGATATCAGCTAAAGCAGCTGTAG

Enterococcus flavescens

NGCATGCGCTGAGTCGATCACGTTTTTGATCAAACGTAAAATTGATGGGTTGTATGGT
TGGTACAAGTAAGACACGCGCTCGTTCATGCGGTCTGCAGCCATTGTGTATTGGATCA
AGTCATTGGTACCAATACTGAAGAAGTCAACTTCCTTCGCAAACTTGTCTGCTAAGAC
AGCAGCTGCTGGAATTTCGATCATGATTCCGACTTGGATCTCGTTAGAAACCTCAACG
CCTTCGTCAATCAATTTTTTGACGCTCTTCTTCATACATTTTCTTCGCAGTACGGAACT
CTTTCAATGTTGCCACCATTGGGAACATGATACGTAAGTTGCCGTGAGCAGAAGCACG
TAACAACGCACGAAGTTGGGTACGGAACATGTCATCCCCAAGTTCAGATAAGCTGATA
CGCAATGCACGATAGCCCAAGAACGGATATTNNTCNTA

Enterococcus casseliflavus

GCGCTGAGTCGATACGTTTTTGATCAAACGTAAAATTGATGGGTTGTATGGTTGCTAC
AAGTAAGACACGCGCTCGTTCATGCGGTCTGCAGCCATGGTGTATTGGATCAAGTCAT
TGGTACCAATACTGAAGAAGTCAACTTCCTTCGCAAACTTGTCTGCTAAGACAGCAGC
TGCTGGAATTTCGATCATGATTCCGACTTGGATCTCGTTAGAAACCTCAACGCCTTCG
TCAATCAATTTTTGACGCTCTTCTTCATACATTTTCTTCGCAGTACGGAACTCTTTCA
ATGTTGCCACCATTGGGAACATGATACGTAAGTTGCCGTGAGCAGAAGCACGTAACAA
CGCACGAAGTTGGGTACGGAACATGTCATCCCCAAGTTCAGATAAGCTGATACGCAAT
GCACGATAGCCCAAGAACGGATNATTTNTCTTA;

Enterococcus gallinarum

ACCTTNGCATGTGCTGAATCGATTACGTTTTTGATCAACGTAGAATAGATGGGTTATA
TGGTTGGTAAAGATATGAAACTTGTTCATTCATACGGTCTGCAGCCATTGTGTATTGG
ATCAAGTCATTGGTACCAATACTGAAGAAGTCTACTTCCTTGGCAAATTTGTCAGCTA
AGACAGCTGCTGCAGGAATTTCGATCATGATACCTACTTGAATATCTTCAGAGACGGT
TACGCCTTCATCGATCAATTTTTGACGTTCTTCTTCGTACATTTTTTTCGCAGCACGG
AACTCTTTCAATGTTGCCACCATTGGGAACATAATCCGCAAGTTTCCGTGAGCAGAAG

CACGTAACAGCGCACGAAGTTGTGTACGGAACATGCCGTCACCCAACTCAGACAAACT GATACGCAATGCACGATAGCCCAAGAACGGATCTTTNTCCNTTA

Enterococcus raffinosus

Enterococcus villorum

Clostridium difficile

TTTNNGGANGGCNTCTNTCGTANGCATTGTCTAŢANCAGTCTTATAAGTCTTAAAAC
AGCTGGATNAAATTGATTGTAAAGNTAACTTATCTTTTGATTCATTCTATCAACTGCA
CAAGTGTATTGAATTAAATCATTAGTTCCTATAGAGAAGAAATCTACGTGTTTAGCCA
ATACATCAGATATCACAGCAGCAGCAGATGGAACTTCTATCATCATACCAATTTCTACATC
TTTAGCATAAGCCACACCTTCAGAATCAAGTTCTGCTAAAACTTCTTTTACAACTTCT
TTAGCTTGTAACAACTCTTCTAAAGATGAAATCATTGGGAACATGATTCTTAATCTTC
CATGAACACTAGCTCTATATAAAGCTCTCAATTGAGTCTTAAATATATCTTTTCTATC
TAGGCAAAGTCTTATTGCTCTGTAACCCAAGAACGG

Streptococcus mitis

NGCGTGAGCTGCCTTGATAACGTTGTTGATCAAGCGAAGGATTGATGGGTTATATGGT
TGGTAAAGGTATGAAACTTGCTCGTTCATACGGTCTGCTGCCATTGAGTATTGGATCA
AGTCGTTTGTTCCAATTGACATGAAGTCTACTTCTTTTGCAAATTGGTCTGCAAGCAT
CGCTGCTGCAGGGATTTCAATCATGATACCAACTTGGATATCATCCGCAACTGCAACA
CCTTCAGCAAGAAGGTTTGCCTTTTCTTCTTCATAAACTGCTTTGGCTGCACGGAATT
CTTTCAAAAGAGCAACCATTGGGAACATGATACGCAATTGACCATGAACAGAAGCACG
AAGAAGAGCACGGATTTGTGTACGGAACATTGCATCTCCAGTTTCAGAAATAGAGATA
CGAAGGGCACGGAATCCNAAGAACGGATATTTTTCNTA

Bacillus halodurans

NCCTTCGCTATGAGCTGCTTTAATAACCATATCGACGAGGCGTAAAATCGCAGGGTGG
TATGGCTGATACAGGTAGGAGACTCGCTCATTCATGCGGTCAGCAGCCATCGTATATT
GAATTAAGTCGTTCGTTCCGATACTGAAAAAGTCTACTTCTTTTGCAAAAAGATTAGC
CGCTACCGCCGTCGATGGGATTTCTACCATGATTCCCACTTCAATTGAATCGGATACG
TCCACTCCTTCACTAAGAAGCTTGTCTTTTTCCTCTTTGCATGATCGCTTTTGCTTGGC
GAAGCTCTTCAAGGGGTGGCGATCATTGGAAACATCACCTTTAAGTTACCGTATGTGCT
TGCGCGAAGCAAGGCACGGAGTTGGGTCCGGAAAATATCTTGTTTTTCAAGGCACAGA

Bacillus weihenstephanensis

Streptococcus species

CNNANTTNCCTTCGCGTGAGCTGCTTTGATAACGTTGTTAATCAACGAAGGATTGATG GGTTGTATGGTTGGTAAAGGTATGAAACTTGTTCGTTCATACGGTCAGCAGCCATTGT GTATTGGATAAGGTCGTTTGTTCCGATTGAGAAGAAGTCAACTTCTTTCGCAAATTGG
TCAGCAAGCATAGCTGCAGCTGGGATTTCAATCATGATACCAACTTGGATATCATCTG
AAACGGCAACACCTTCAGCTTTAAGGTTTGCTTTTCTTCATCAAAGATTGCTTTAGC
AGCACGGAATTCTTTAAGAAGAGCAACCATTGGGAACATGATACGAAGTTGTCCGTGT
ACAGATGCACGAAGAAGTGCACGGATTTGTGTACGGAACATTGCATTTCCTGTTTCTG
AGATAGAAATACGAAGTGCACGGAATCCNAAGAACGGATCCTTTTTCCTTAA

Streptococcus gordonii

NTGCCTTCGCATGAGCCGCCTTGATAACATTGTTGATCAAGCGAAGGATAGATGGGTT
ATAAGGTTGATAGAGGTAAGAGACTTGTTCATTCATCCGGTCAGCTGCCATAGTGTAC
TGGATCAAGTCGTTGGTACCAATTGAGAAGAAGTCAACTTCCTTGGCAAATTGATCCG
CCAACATAGCTGCTGGGAATTTCAATCATGATACCCACTTGAATGTTATCCGCTAC
AGCAACACCTTCAGCTTGCAATTTCGCTTTTTCTTCTTCTTCGTAAACTGCTTTAGCCTTA
CGGAATTCTGTTAGAAGGGCTACCATTGGGAACATGATACGTAATTGTCCATGTACAG
ACGCACGTAAGAGGGCGGGATTTGTGTACGGAACATAGCATTACCAGTTTCAGAGAT
AGAGATACGCAAAGCACGGAAGCCNAAGAACGGTCNTTTT

Streptococcus canis

Bacillus pumilus

CNTACGCTGCTTCATAACAAGCGTAATCAAACGTAAAATCGCTGGATTGTAAGGCTGG
TAAAGATAAGACACTCGTTCGTTCATTCGATCAGCAGCCATTGTGTATTGAATCAAAT
CATTTGTTCCAATACTGAAGAAATCAACTTCTTTTGCGAATTGGTCTGCGATGACAGC
GGTTGATGGAATTTCTACCATTATACCGATTTCAATGGAATCGGATACGTCTGTACCA
GCGGCAACCAATGCTTCTTTTTCTTCAAGTAAAATGGCTTTTGCTTCTCTAAATTCTG

Bacillus species

Lactococcus lactis

GTGAGCTGCTTTGATNCATTGTTAATCAAACGAAGGATTGATGGATTGTAAGGTTGGT
AAAGGTAAGAAACTTGTTCATTCATACGGTCTGCAGCCATTGTATATTGGATGAGGTC
GTTTGTACCAATTGAGAAGAAATCAACTTCCTTAGCAAATTGGTCTGCAAGCATTGCT
GCTGCTGGAATTTCAATCATGATACCTACTTCGATACCATCTGCAACTGGAACACCTT
CAGCAATCAATTTTGCTTTTTCTTCGTCATAAATCTTCTTAGCTGCACGGAACTCAGT
TACGAGAGCAACCATTGGGAACATGATACGAAGTTGTCCGTGTACAGAAGCACGCAAG
AGTGCACGCAATTGTGTACGGAACATTCCGTCACCAGCTGTTGAAAGGCTGATACGAA
GTGCACGCCATCCCANGAACGGTNNTTTTTNTTTTAA

Bacillus firmus

Haemophilus influenzae

TGAGAGGCATCAATCACTTGTTTAATTAAACCAAGCACAGAGGGGTGCATCGGATTAT
AAAGATGGGAAATAAACTCATTACCGCGATCTACAGCCAAAGTATATTGAGTTAAATC
GTTAGTACCGATACTAAAGAAATCCACTTCTTTTGCTAAAAAATTTTGCATTTACTGCG
GCAGAGGGGGTTTCGACCATTACACCAACTTGGATATTATTATCAAACAGTCTCCCCT
CTTCACGTAATTCCGCTTTTAATGTTTCAATAACCGCTTTTAATTCCCGAATTTCTTC
TACAGAAATAATCATCGGGAACATTACCGCCAATTTACCAAAAGCTGAAGCACGTAAC
ACCGCGCGTAATTGTGCATTTAAAATTTCACGACGATCTAATGCAATGCGAATCGCAC
GCCATCCCAAGAACGGATNNTTTTTCTT

Streptococcus bovis

Enterococcus durans

TGTGCTGCATCAATCACGTTTTTGATCAAACGTAAAATTGAAGGGTTATAAGGTTGAT
ACAAGTAAGATACACGTTCGTTCATGCGGTCAGCTGCCATTGTGTATTGAATCAAGTC
ATTCGTACCTACTGAGAAGAAGTCAACTTCCTTCGCAAACTTATCTGCTAAGACAGCT
GCTGCAGGGATTTCAATCATGATGCCGACTTGGATCGTATCAGATACTTCCACGCCTT
CGCTCACTAATTTTTGTTTTTCTTCTTCAAAGATTGCTTTCGCTGCACGGAATTCTTT
AAGAGTCGCTACCATTGGGAACATGATGCGTAAGTTCCATGAACAGATGCACGTAAC
AATGCGCGCATTTGTGTACGGAACATTTCGTCACCTAATTCAGACAAGCTGATACGTA
GCGCACGATAGCCCAAGAACGGATNNTTTTCCCTTAA

Streptococcus sanguis

Escherichia coli

Serratia liquefasciens

NTGNCTTCTGCATGAGNATGCATCAATAACCTGTTTGATCAGGCCAAGCACTGATGGG
GACATCGGGTTATAGAGATGAGAAATCAGCTCATTGCCGCGATCTACCGCCAGAGTAT
ACTGGGTTAGATCGTTTGTCCCAATACTAAAGAAGTCGACTŢCTTTCGCCAGGTGATG
AGCAATCACTGCCGCGGCCGGTGTTTCCACCATTACGCCCACTTCAATGGTCTCCA
AAGGCCTTGGATTCTTCACGCAGCTGCGCCTTCAGCGTCTCGATTTCACCTTTCAGAT
CGCGGACTTCTTCCACGGAAATGATCATCGGGAACATGATGCGCAGTTTGCCGAACGC
GGAAGCGCGCAGGATGGCGCGCAGTTGCGCGTCCATGGCG
ATACGAATCGCGCGCCCAGCCNAAGAACGNTTNTTTTTANTTTA

Proteus mirabilis

GTGTGATGCATCAATCACCTGTTTAATCAGATTAAGTACAGCAGGTGACATTGGATTA
TATAGATGAGATATCAGCTCATTTCCACGGTCTACAGCCAGAGTATATTGTGTTAGAT
CGTTAGTCCCAATACTGAAAAAGTCAACTTCTTTTGCCATATGGCGAGCCATAACAGC

CGCTGCTGGCGTTTCAACCATAACACCGACTTCGATAGATTCATCAAAAGGCTTATTT
TCTTCACGAAGCTGGCTTTTCAGTATTTCAAGTTCCGCTTTCAATGCTCGGATCTCTT
CAACAGAGATAATCATTGGAAACATAATACGTAGTTTACCAAAAGCAGACGCTCTTAA
GATAGCACGTAATTGTGGATGAAGGATCTCTTTGCGGTCAAGACAAATACGAATTGCA
CGCCAACCCAAGAACGGAT

Proteus vulgaris

CCTTCTGCATGTGATGCATCAATAACCTGTTTTATCAGGTTAAGTACTGCTGGTGACA
TTGGATTATACAGATGAGATATCAGCTCATTTCCACGGTCTACAGCCAGAGTATATTG
TGTTAGATCGTTAGTCCCAATACTGAAAAAGTCAACTTCTTTTGCCATGAGACGTGCC
ATTACGGCCGCCGCAGGGGTTTCAACCATGACACCGACTTCGATAGACTCATCGAAAG
TTTTGTTTTCTGCACGAAGCTGGCTTTTCAGTATTTCAAGTTCTGCTTTCAATGCGCG
AATCTCTTCAATAGAGATAATCATTGGAAACATAATGCGTAGTTTACCAAAAGCAGAT
GCTCTTAAGATAGCACGTAATTGCGAATGAAGGATCTCTTTACGGTCAAGACAAATAC
GAATTGCTCTCCAACCCAAGAACGGTC

Figure 6. Marqueur moléculaire III (SpyM_0902 &SpyM_0903) séquences amplifiées à partir de bactéries à Gram positif

Streptococcus pyogenes

Streptococcus oralis

CCGTAAAGGCACCGAAGGGGCAAGGCAGGTAACTGCTCAAACTCTCAGGTAAAAGGAC
AGAGCTAGGATAGACCGCTTTTTGGCATTTATCTAAGCATTCCAGAGTACATGTATCT
TGCATGTACTCTTTCTTTTTGGGGTTGAAAGATAGGAGAAGGACATGTTAGAATTGCTT
AAAGCGCTTGATGCTTTTGCTTGGGGGCCTTCCCCTCTTGATCTTATTGGTCGGAACGG
GTATCTATTTGACCATCCGACTGGGCCTTTTGCAGGTTACTCGTCTCCCTAAGGCCTT
TCAGTTGATCTTTACCAAGGACAAGGGGCACGGCGATGTGTCGAGCTTTGCTGCTCTC
TGTACGGCTCTAGCAGCCACAGTTGGTACGGGAAATATCATCGGGGTAGCGACAGCCA
TTAAGGTTGGAGGACCAGGGGCCCTCTTTTTGGATGTGGATGGCGGCCTTCTTTTGGAAT
GGCCC

Streptococcus faecalis

و لله و الأخوار في ال

Streptococcus agalactiae

TATAAGTAGCAACATCTTTGTATTGACACCAAGATGTGCTCTAGGCGCCGAAGGGGCA
AGAAGAGTAAAACAACTCCTCCAATCTCTCAGGCAAAAGGACAGAAGCTAAAAGCCAA
TATTAATAATGAGTAGTAAGCTTATTAAGTTTACTACTACCTTTTATTTTGTGCGCTTTT
TAGCTAGCATCTTTCAGAAGTTATCTCTTTTAGAGATAACTTTTTTCGTTTCATTACA
GAATCCATAGGTATGTCATGTATCAAAGGAGAACATATGCTAACACTTTTTACTCATA
TCAATAGCTTCGTTTGGGGTCCACCTTTACTTGCTTTATTAGTCGGAACAGGTATTTA
CCTATCATTTCGCTTAGGTTTTGTTCAATTGAGACAACTTTCTAGAGCTTTCAAATTG
ATTTTCCGAGAAGATAACGGACAAGGGGATATTTCAAGTTATGCTGCTCTTGCAACTG
CTCTTGCTGCAACGGTAGGGACAGGTAATATCGTTGGTGTGCTACGGCTATTAAATC
TGGAGGACCAGGAGCTTTTTTTGGATGTGGTTGGTGCCCC

Streptococcus pneumoniae

GTAAAGGCACCGAAGGGCAAGGCAGCAACTGCTCAAACTCTCAGGTAAAAGGACAG
AGCTAGGATAGACCGCTTTTTAGCATTTATCTAAGCATTCCAGAGTACATGTATCTTG
CATGTGCTCTTTCTTTTGGGGTTGAAACGATAGGAGAAGGAAATGTTAGAATTGCTTA
AATCAATCGATGCTTTTGCTTGGGGACCGCCCCTCTTGATTTTATTGGTCGGAACAGG
GATTTACCTAACCATGCGGCTAGGACTCTTGCAGGTTTTGCGTCTGCCCAAGGCCTTT
CAGCTTATTTTTATCCAGGATAAGGGACATGGTGATGTATCÇAGTTTTACAGCTCTGT
GTACAGCCTTGGCATCAACTGTTGGAACAGGAAATATCATAGGAGTTGCGACGGCTAT
CAAGGTTGGTGGACCAGGAGCTCTATTTTGGATGTGGATGGCGGTTTTCTTTTGGAATG

Enterococcus durans

NGNCCGAGGGCAAGGTCAGNACAACTGCTCAAACTCTCAGGTAAAAGGACAGAGCTA GGATAGACCGCTTTTTAGCATTTATCTAAGCATTCCAGAGTACATGTATCTTGCATGT GCTCTTTCTTTTGGGGTTGAAACGATAGGAGAAAGGAAATGTTAGAATTGCTTAAATCA ATCGATGCTTTTGCTTGGGGACCGCCCCTCTTGATTTTATTGGTCGGAACAGGGATTT ACCTAACCATGCGGCTAGGACTCTTGCAGGTTTTGCGTCTGCCCAAGGCCTTTCAGCT TATTTTTATCCAGGATAAGGGACATGGTGATGTATCCAGTTTTACAGCTCTGTGTACA GCCTTGGCATCAACTGTTGGAACAGGAAATATCATAGGAGTTGCGACGGCTATCAAGG TTGGTGGACCAGGAGCTCTATTTTGGATGTGGATGGCGGTTTTCTTTGGAATGGCCC

Streptococcus anthracis

Bacillus cereus

Streptococcus mutans

Figure 7. Marqueur moléculaire IV ("putative GTP-binding factor plus 160 nt downstream") séquences amplifiées à partir de bactéries à Gram positif

Listeria monocytogenes

GTTAGAAAAAGGAAGTTCTATTGTAGCATCGCCAAAAATCCATCAAACCTTATTAGAT AACTACCTGCCTTAAAGAAAGCGCTCAACATAAAAAAACTTGTTTTCAGAAAATAAAA ATCGTGCCAAATCGGCTCAGCTATGCTATAATAGGTAAGTTGATTTAAACGAGACGAT AGCGACGGAGGAAAATAAATCTATTTTCCTCTTTTTTGGCTAATCTTCACGATAAA TGTTTGGATTTTTAATTTAGGAGGAAACAAGATTGAATTTAAGAAATGATATTCGTAA TGTAGCAATTATTGCCCACGTTGACCATGGTAAAACAACTCTAGTAGACCAATTATTA CGCCAGTCAGGCACATTCCGCGACAATGAAACAGTTGCAGAACGCGCAATGGACAACA ATGATTTAGAAAGAGAACGCGGTATTACAATTTTAGCGAAAAATACAGCGATTAAGTA TGAAGATACACGTGTAAACATCATGGATACACCTGGACACGCCGATTTCGGTGGAGAA GTAGAACGTATCATGAAAATGGTTGATGGTGTTCTTTTAGTAGTGGACGCGTATGAAG GTACGATGCCTCAAACACGTTTTGTACTAAAAAAAGCACTAGAACAAAACCTAACTCC AATCGTAGTAGTAAACAAAATTGACCGTGACTTTGCTCGCCCAGAAGAAGTTGTTGAT GAAGTATTAGAATTATTCATCGAACTAGGCGCAAACGACGATCAATTAGAATTCCCAG TTGTTTATGCTTCTGCAATCAACGGAACTTCAAGCTATGATTCCGATCCAGCAGAACA AAAAGAACAATGAAACCACTTTTAGACACAATTATCGAACATATCCCGGCTCCAGTT GATAATAGCGACGAACCATTACAATTCCAAGTATCATTACTTGATTATAATGACTATG TTGGTCGTATCGGTATTGGCCGCGTATTCCGTGGAACAATGCACGTGGGACAAACAGT TGCTTTAATTAAACTTGATGGCACAGTAAAACAATTCCGTGTAACGAAAATGTTCGGT TTCTTCGGACTAAAACGTGACGAAATTAAAGAAGCAAAAGCTGGTGATTTAGTAGCAT TAGCAGGTATGGAAGACATCTTCGTTGGTGAAACAGTAACACCATTTGACCACCAAGA AGCACTTCCGTTATTACGTATTGATGAGCCAACCTTGCAAATGACTTTCGTAACAAAT AACAGTCCTTTCGCTGGTCGTGAAGGTAAACACGTAACAAGCCGTAAAATTGAAGAAC GTTTACTTGCAGAGCTTCAAACGGACGTATCTTTACGCGTAGAGCCAACAGCTTCCCC TGACGCTTGGGTAGTTTCTGGTCGTGGTGAGCTTCATTTATCCATTTTGATCGAAACA ATGCGTCGCGAAGGTTATGAATTACAAGTTTCTAAACCAGAAGTAATCATCCGTGAAA TTGATGCCGTGAAATGTGAACCAGTAGAAGATGTTCAAATTGATACTCCAGAAGAATT CATGGGTTCCGTTATTGAATCTATCAGCCAACGTAAAGGCGAAATGAAAAACATGATT AACGATGGCAACGGACAAGTTCGTTTACAATTCATGGTTCCAGCTCGTGGCTTAATCG GTTATACAACTGATTTCCTTTCAATGACTCGTGGTTATGGTATTATCAACCACACA

Listeria innocua

ATAAAAAACTCATTTTCAGAAAATAAAAATAGTGCTAAATCCGCTTAGCTATGCTAT TCTTTCTTTTGGCTAATCTTCACGATAAATGTTTGGATTTTTAATTTAGGAGGAAACA AGATTGAATTTAAGAAACGATATTCGTAATGTAGCAATTATTGCCCACGTTGACCATG GTAAAACTACACTAGTAGACCAATTACTACGCCAATCAGGTACTTTCCGCGACAATGA AACAGTTGCAGAACGTGCAATGGACAACAATGATTTAGAAAGAGAACGCGGTATTACA ATTTTAGCGAAAATACAGCAATTAAGTATGAAGATACACGCGTAAACATCATGGATA CACCTGGACACGCCGATTTTGGTGGAGAAGTAGAACGTATCATGAAAATGGTTGATGG TGTTCTTTTAGTAGTGGACGCGTATGAAGGTACTATGCCTCAAACACGTTTTGTACTA ACTTTGCTCGCCCAGAAGAAGTTGTTGATGAAGTACTAGAATTATTCATCGAACTAGG TGCGAACGACGATCAATTAGAATTCCCAGTTGTTTATGCTTCTGCAATTAACGGAACT TCAAGCTTTGAATCCGACCCAGCAGAACAAAAAGAAACAATGAAACCACTTTTAGACA CTATTATTGAACATATTCCAGCTCCAGTTGATAACAGCGACGAGCCATTACAATTCCA AGTTTCTTTACTTGATTATAATGACTATGTTGGTCGTATTGGTATTGGCCGCGTTTTTC AACAATTCCGTGTAACGAAAATGTTCGGTTTCTTCGGACTAAAACGTGACGAAATTAA AGAAGCAAAAGCGGGTGACTTAGTAGCACTTGCAGGAATGGAAGACATCTTCGTCGGT GAAACAGTAACACCATTTGACCACCAAGAAGCACTTCCACTTTTACGTATTGATGAGC CAACCTTGCAAATGACTTTTGTAACAAATAACAGTCCTTTCGCAGGCCGTGAAGGTAA ACACGTAACAAGCCGTAAAATTGAAGAACGCTTACTTGCAGAACTTCAAACGGATGTA TCTTTACGCGTTGAACCAACAGCTTCTCCAGACGCATGGGTAGTATCTGGTCGTGGTG AGCTTCACTTGTCTATCTTAATTGAAACGATGCGTCGTGAAGGTTATGAGTTACAAGT TTCTAAACCAGAAGTAATCATCCGTGAÄATCGATGGCGTGAAATGTGAACCAGTAGAA GACGTTCAAATTGATACTCCAGAAGAATTCATGGGTTCAGTTATTGAATCTATCAGCC AACGTAAAGGCGAAATGAAAAACATGATTAACGACGGCAATGGCCAAGTTCGTTTACA ATTCATGGTTCCAGCTCGTGGATTAATCGGTTATACAACTGATTTCCTTTCAATGACA

Bacillus cereus

TTACTTTCACAAAAGTAAGAATACAACTATATTTTCATTCTTGCTTTTATTTTAATTG
CTATTGTATCCCCTTCGCTCTTATAATAGAGAAGGATTAAAAAGACATTAGGAGTTGG

ACATGTTGAAAAAACGACAAGATTTACGTAATATAGCAATTATTGCCCACGTTGACCA TGGTAAAACAACACTTGTTGACCAGTTATTACGTCAAGCGGGGACTTTCCGTGCGAAC GAACACGTTGAAGAACGCGCAATGGATTCAAATGATCTAGAAAGAGAACGCGGTATTA CAATTTTAGCGAAAAATACAGCGATTCACTATGAAGATAAAAGAATTAACATTTTAGA TACACCTGGTCACGCTGACTTCGGTGGAGAAGTAGAACGTATCATGAAAATGGTTGAT GGTGTTTTACTTGTTGATGCATATGAAGGTTGTATGCCACAAACACGATTTGTTT TAAAGAAAGCTCTTGAGCAAAACTTAACTCCAATCGTAGTTGTAAACAAAATTGACCG ${\tt TGACTTCGCTCGAGATGAAGTAGTTGATGAAGTAATCGACTTATTCATTGAGCTT}$ GGTGCAAACGAAGATCAATTAGAGTTCCCAGTTGTATTTGCATCAGCAATGAACGGAA CAGCAAGCTTAGATTCAAATCCAGCAAATCAAGAAGAGAATATGAAATCATTATTCGA TACAATTATCGAACATATTCCAGCACCAATTGATAACAGCGAAGAGCCACTTCAATTC CAAGTAGCACTTCTTGATTACAACGACTACGTTGGACGTATTGGAGTTGGTCGCGTAT TCCGCGGTACAATGAAGGTTGGACAACAAGTTGCTTTAATGAAAGTAGACGGAAGCGT GAAGCAATTCCGCGTAACGAAATTATTCGGTTACATGGGATTAAAACGTCAAGAAATT GAAGAAGCAAAAGCAGGGGACTTAGTAGCCGTTTCTGGTATGGAAGACATTAACGTAG GTGAAACAGTATGTCCAGTTGAACATCAAGATGCGTTACCATTATTACGTATTGATGA GCCAACACTACAAATGACGTTCCTTGTAAATAACAGCCCATTTGCAGGTCGTGAAGGT AAATACATTACATCTCGTAAAATTGAAGAGCGTCTTCGTTCACAATTAGAAACAGATG TAAGTTTACGTGTAGATAATACAGATTCTCCTGATGCGTGGATCGTATCTGGACGTGG GGAACTACATTTATCTATCTTAATTGAAAACATGCGTCGTGAAGGTTATGAATTACAA GTATCTAAGCCAGAAGTAATCATTAAAGAAGTTGATGGCGTAAGATGTGAGCCTGTAG AGCGCGTACAAATCGATGTACCTGAAGAATACACTGGTTCTATTAT

Bacillus anthracis

CTATATTTCATTCTTGATTTTATTTTAATTGCTATTGTATCCCCTTCGCTCTTATAA
TAGAGAAGGATTAAAAAAGACATTAGGAGTTGGACATGTTGAAAAAAACGACAAGATTTA
CGTAATATAGCAATTATTGCCCACGTTGACCATGGTAAAAACAACACTTGTTGACCAGT
TATTACGTCAAGCGGGGACTTTCCGTGCGAACGAACACGTTGAAGAACGCGCAATGGA
TTCAAATGATCTAGAAAGAGAACGCGGTATTACAATTTTAGCGAAAAAATACTGCGATT
CACTATGAAGATAAAAGAATTTAACATTTTAGATACACCAGGTCACGCTGACTTCGGTG
GAGAAGTAGAACGTATTATGAAAATGGTTGATGGTGTATTACTTGTTGTTGATGCATA
TGAAGGTTGTTGTTGTTGAAAACTTA
ACTCCAATCGTAGTTGTAAAAAACTTA

TTGATGAAGTAATCGACTTATTCATCGAACTTGGTGCAAACGAAGATCAATTAGAGTT CCCAGTTGTATTTGCATCAGCAATGAACGGAACAGCAAGCTTAGATTCAAACCCAGCA AATCAAGAAGAGAATATGAAATCATTATTTGATACAATTATTGAACATATTCCTGCAC CAATTGATAACAGCGAAGAGCCACTTCAATTCCAAGTAGCACTTCTTGATTACAACGA CTATGTTGGACGTATCGGGGTTGGACGCGTATTCCGCGGTACAATGAAGGTTGGACAA CAAGTTGCTTTAATGAAAGTAGACGGAAGTGTAAAACAATTCCGCGTAACGAAACTAT TTGGTTATATGGGATTAAAACGTCAAGAAATTGAAGAAGCAAAAGCTGGAGACTTAGT AGCTGTTTCTGGTATGGAAGACATTAACGTAGGTGAAACAGTATGTCCAGTTGAACAT CAAGATGCGTTACCATTATTACGTATTGATGAGCCAACACTACAAATGACATTCCTTG TAAATAACAGCCCATTTGCAGGTCGTGAAGGTAAATACATTACATCTCGTAAAATTGA AGAGCGTCTTCGTTCACAATTAGAAACAGATGTAAGTTTACGCGTAGATAATACAGAA AAAACATGCGTCGTGAAGGTTATGAACTACAAGTATCTAAACCAGAAGTAATCATTAA AGAAGTTGATGCGTAAGATGTGAGCCTGTAGAGCGTGTGCAAATTGATGTACCTGAA GAATACACTGGTTCTATTATGGAATCTATGGGTGCACGTAAAGGTGAAATGTTAGATA TGGTGAATAACGGAAACGGTCAAGTTCGCCTTACTTTCATGGTTCCAGCACGTGGTTT AATTGGTTACACAACAGAATTCTTAACATTAACTCGTGGTTACGGTATTTTAAACCAT ACATTCGATTGCTACCAACCAGTACACGCTGGACAAGTTGGTGGACGTCGTCAAGGTG TTCTAGTTTCACTTGAAACAGGAAAAGCATCACAATACGGTATTATGCAAGTTGAAGA CCGTGGTGTAATCTTCGTTGAACCAGGTACAGAAGTATATGCTGGTATGA THTTHT

Staphylococcus aureus

TCAATTATATGATATAATAAAAAAGTTGTAATTAAAAGTGGGATTTTACTTAAGAAAG
AAGGAAACTATTTATATGACTAATAAAAGAGAAGATGTCCGCAATATAGCAATTATTG
CTCACGTTGACCATGGTAAAACAACTTTAGTAGATGAGTTGTTAAAAACAATCTGGTAT
ATTCAGAGAAAATGAACATGTCGATGAACGTGCAATGGACTCTAACGATATCGAAAGA
GAGCGTGGAATTACGATTCTAGCCAAAAATACGGCTGTTGATTATAAAGGTACACGTA
TTAATATTTTGGATACACCAGGACATGCAGACTTTGGTGGAGAAGTAGAACGTATTAT
GAAAATGGTTGATGGGGTTGTCTTAGTAGTAGATGCGTATGAAGGTACAATGCCTCAA
ACACGTTTTGTACTTAAAAAAAGCGCTAGAACCAGAAACCTGAAACCTGTTGTTGTTA
ATAAAATTGATAAACCATCAGCACGTCCAGAGGGTGTTGTAGATGAAGTTTTAGATTT
ATTTATTGAATTAGAAGCAAACGATGAACAATTAGAATTCCCTGTTGTTTATGCTTCA

GCAGTAAATGGAACAGCTAGCTTAGATCCTGAAAAACAAGATGATAATTTACAATCAT
TATATGAAACAATTATTGATTATGTACCAGCTCCAATTGATAACAGTGATGAGCCATT
ACAATTCCAAGTAGCATTGTTGGACTACAATGATTATGTTGGACGTATTGGTATTGGT
CGTGTATTCAGAGGTAAAATGCGTGTCGGAGATAATGTATCACTAATTAAATTAGACG
GTACAGTGAAAAACTTCCGTGTAACTAAAATCTTTGGTTACTTTGGATTAAAACGTTT
AGAAATTGAAGAAGCACAAGCTGGAGATTTAATTGCTGTTTCAGGTATGGAAGACATT
AATGTTGGTGAAACTGTAACACCACATGACCATCAAGAAGCATTGCCAGTTCTACGTA
TTGATGAGCCTACTCTTGAAATGACATTTAAAGTTAACAATTCTCCATTTGCTGGCCG
TGAAGGTGACTTTGTAACAGCACGTCAAATTCAAGAACGTTTAAATCAACAATTAGAA
ACAGATGTATCTTTGAAAGTTTCTAACACAGATTCTCCAGATACATGGGTAGTTGCTG
GTCGCGGTGAATTGCATTTATCAATCCTTATTGAAAATTAGCGTCGTGAAGGTTATGA
ATTACAAGTTTCAAAACCACAAGTAATTATTAAAGAAATAGATGGTGTAATG

Staphylococcus epidermidis

ACCCCACCTTTTACTTATCTTTTCAATAATATATGATATAAAAAACAGTTGCAATTA AAAGTGGGAGTATACACAAGAAAGGAATTTATAAAATGACTAATTTAAGAGAAGATGT TCGTAATATAGCGATTATTGCGCATGTCGACCATGGTAAAACAACATTAGTAGACCAG TTGCTTAAACAATCAGGTATATTTCGTGAAAACGAACATGTCGACGAGCGTGCAATGG ACTCTAATGATTTAGAAAGAGAACGTGGTATTACGATTCTTGCTAAGAATACAGCGAT AGATTATAAAGGAACGCGTATCAATATATTAGACACACCTGGCCACGCCGATTTTGGT GGTGAAGTTGAACGTATCATGAAAATGGTTGACGGTGTCGTACTAGTGGTTGACGCAT ATGAAGGTACAATGCCTCAAACTCGTTTTGTTCTTAAAAAAGCTTTAGAACAAACTT AAAACCGGTTGTAGTTGTGAATAAATTGATAAACCAGCTGCTAGACCTGAGGGGAGTT GTAGATGAAGTATTAGACTTATTCATTGAATTGGAAGCGAATGATGAGCAATTAGACT TCCCAGTTGTTTATGCTTCAGCTGTGAATGGAACAGCAAGTTTAGACTCTGAAAAGCA AGACGAAAATATGCAATCCCTATACGAGACGATTATTGACTATGTACCGGCACCAGTA GATAATTCAGATGAACCATTACAATTCCAAATTGCTTTACTAGATTATAATGATTATG TAGGTCGTATAGGCGTTGGACGTGTGTTCAGAGGTAAAATGCGTGTAGGTGATAATGT ATCACTAATTAAATTAGATGGTACAGTTAAGAACTTTCGTGTGACGAAAATATTTGGT TACTTTGGTCTTAAACGTGAAGAAATTGAAGAAGCACAAGCAGGAGACTTAATAGCTG TTTCAGGTATGGAAGATATTAACGTTGGTGAAACAGTTACACCACATGATCATCGTGA CCCATTACCGGTGTTACGTATTGATGAACCAACCCTAGAAATGACTTTTAAAGTAAAT AACTCTCCGTTTGCTGGACGTGAAGGTGATTATGTAACAGCTCGACAAATTCAAGAAA GATTAGATCAACAACTTGAAACAGATGTTTCTTTAAAAGTTACACCTACTGATCAACC
AGATTCATGGGTTGTTGCTGGTCGTGGTGAACTACACTTGTCTATTCTTATTGAAAAC
ATGAGACGTGAAGGCTTTGAATTACAGGTTTCTAAACCTCAAGTTATTTTAAGAGAAA
TCGATGGTGTGTTAAGTGAACCATTTGAGCGTGTACAATGTGAA

Bacillus subtilis

GAAAAACGTGACGCTTTTAAAGAGGGTGTGTGATATAATATGAAAGTTATCTAATTTT TTTAGGAGATGAAAAGTGAAACTTCGAAATGATCTTCGCAACATCGCGATTATTGCC CACGTTGACCATGGGAAAACGACTCTAGTCGATCAGCTTTTACATCAGGCTGGTACGT TCCGTGCCAACGAACAGGTTGCTGAACGCGCAATGGACTCTAATGATCTTGAACGCGA ACGCGGCATTACAATATTGGCGAAAAATACTGCGATTAACTATAAAGATACACGTATC AATATTTTGGACACCCCTGGACATGCAGACTTTGGGGGAGAAGTAGAACGGATTATGA AAATGGTTGACGGCGTAGTGCTTGTCGTTGACGCATATGAAGGCTGTATGCCTCAAAC TCGTTTTGTTCTGAAAAAAGCTCTTGAGCAAAACCTGAACCCTGTTGTTGTTGTAAAC AAAATTGACCGTGACTTTGCTCGTCCAGAGGAAGTTATCGATGAAGTTCTGGATCTGT TCATTGAGCTTGATGCCAATGAAGAGCAGCTCGAGTTCCCAGTGGTATATGCTTCCGC GATTAATGGAACAGCGAGTCTTGATCCGAAACAACAGGATGAAAACATGGAAGCTTTA TATGAAACCATTATTAAGCATGTTCCGGCACCTGTTGATAATGCAGAGGAGCCGCTTC AATTCCAAGTTGCCCTTCTTGACTACAACGACTATGTAGGCCGTATCGGAATCGGACG CGTATTCCGCGGCACAATGAAAGTCGGACAGCAGGTTTCTCTTATGAAGCTTGACGGA ACGGCAAAGTCATTCCGTGTTACAAAGATTTTTGGTTTCCAAGGCTTAAAGCGTGTGG AAATTGAAGAAGCAAAAGCGGGAGACCTCGTTGCGGTTTCCGGGATGGAAGATATCAA CGTTGGTGAAACGGTATGTCCTGTAGACCATCAAGATCCGCT,TCCGGTCCTTCGCATT GATGAGCCGACACTTCAAATGACATTTGTCGTGAATAACAGTCCGTTTGCAGGCCGTG AAGGCAAATATGTAACGGCCCGCAAAATCGAAGAGCGTCTTCAATCACAGCTTCAGAC GGATGTGAGCTTGCGTGTTGAGCCAACAGCTTCTCCTGATGCTTGGGTTGTTTCAGGA CGCGGTGAGCTGCACTTGTCAATTTTAATTGAAAATATGCGTCGTGAGGGCTATGAGC TTCAAGTGTCAAAACCTGAAGTTATTATCAAAGAAATCGACGGCGTACGCTGTGAGCC TGTTGAACGTGTGCAAATTGATGTTCCTGAAGAGCATACTGGCT

Streptococcus mutans

ATTTGGAGATACCAAGACTGCGACTTTGCTATCTTGGTTTTTTCTTTTATATTTTAAAA CATTTACATATCTCTCCTGAGTTTTTCCCTAATTTTTATGGTATAATAGATAAGTTGA AATAAATTAATGTAAAATGTAAGAGGAATTATGACAAATTTTAGAGAAGATATTAGAA ATGTTGCTATCATTGCCCACGTTGACCATGGGAAAACAACCCTTGTTGATGAGCTCTT AAAACAATCGCATACACTTGATGAGCATAAAAAATTAGAAGAACGTGCGATGGACTCT AATGATCTTGAAAAAGAGCGTGGGATTACTATTCTTGCAAAAAATACTGCTGTTGCCT ACAATGGTGTACGTATTAACATTATGGACACACCAGGACATGCGGATTTTGGTGGAGA AGTAGAGCGTATCATGAAAATGGTTGATGGGGTTGTTCTTGTTGATGCTTATGAA GGTACCATGCCGCAAACACGTTTTGTTTTGAAAAAAGCTTTGGAACAAAACCTGGTTC CAATCGTGGTGGATAAGATTGACAAGCCATCAGCTCGTCCGGCAGAAGTTGTTGA TGAAGTTCTTGAACTTTTCATTGAACTTGGAGCAGATGATGACCAGTTAGAGTTTCCA GTCGTTTACGCTTCGGCGATTAATGGAACTTCTTCATTATCAGATGAACCAGCGGATC AAGAACATACAATGGCACCCGTTTTTGATACTATTATTGAGCATATTCCAGCACCGAT CGATAATTCAGATCAGCCACTTCAATTTCAAGTGTCTCTCCTTGATTATAACGACTTT GTTGGACGTATCGGTATTGGGCGAGTCTTCCGTGGTTCTGTTAAAGTCGGGGATCAAG TGACACTTTCTAAACTTGATGGTACAACAAAGAATTTTCGTGTTACAAAACTTTTCGG TTTCTTCGGTTTGGAACGTCGTGAGATTAAGGAAGCTAAGGCTGGCGATTTGATTGCT GTTTCAGGTATGGAAGATATCTTTGTTGGTGAAACGATTACACCAACTGATGCTGTAG AACCACTTCCTATTCTTCACATTGATGAGCCAACTCTGCAAATGACCTTTTTAGCTAA CAATTCCCCTTTTGCAGGCCGTGAAGGTAAATTTGTAACCTCGCGTAAGGTAGAAGAG CGTTTGTTGGCAGAATTGCAAACAGATGTTTCCCTTCGTGTAGAAGCCACTGACTCAC CAGATAAATGGACGGTTTCAGGTCGTGGGGAGTTACATCTGTCAATCCTTATTGAAAC CATGCGCCGTGAAGGATATGAGCTGCAAGTATCGCGTCCAGAAGTTATTATCAAAGAA ATTGATGGCATCAAATGTGAGCCATTTGAACGCGTGCAAATTGACACACCGGAAGAAT ACCAAGGTGCTGTTATCCAGTCCCTTTCAGAACGTAAAGGTGAAATGCTTGA

Streptococcus pneumoniae

GCGGACTTCGGTGGAGAAGTTGAGCGTATCATGAAAATGGTTGACGGTGTTGTCTTGG TCGTAGATGCCTATGAAGGAACCATGCCACAAACTCGTTTCGTATTGAAAAAAGCCTT GGAACAAGACCTTGTCCCAATCGTGGTTGTTAACAAAATCGATAAGCCATCAGCTCGT CCAGCAGAAGTAGTGGATGAAGTCTTGGAACTTTTCATCGAGCTTGGTGCAGATGACG ACCAGCTTGATTTCCCAGTGGTTTATGCTTCAGCGATCAACGGAACTTCTTCATTGTC AGATGATCCAGCTGACCAAGAAGCGACTATGGCACCAATCTTTGACACGATTATCGAC CATATCCCAGCTCCAGTAGATAACTCAGATGAGCCTTTGCAGTTCCAAGTGTCACTTT TGGACTACAATGACTTCGTTGGACGTATCGGTATCGGTCGTGTCTTCCGTGGTACAGT TAAGGTTGGGGACCAAGTTACCCTTTCTAAACTTGACGGTACAACTAAAAACTTCCGT GTTACAAAACTCTTCGGTTTCTTTGGTTTGGAACGTCGTGAAATCCAAGAAGCCAAAG CGGGTGACTTGATTGCCGTTTCAGGTATGGAAGACATCTTTGTCGGTGAAACCATCAC TCCGACAGATGCAGTAGAAGCTCTTCCAATCCTACACATCGATGAGCCAACTCTTCAA ATGACTTTCTTGGTCAACAACTCACCATTTGCTGGTAAAGAAGGTAAATGGGTAACTT CTCGTAAGGTGGAAGAACGCTTGCAGGCAGAATTGCAAACAGACGTTTCCCTTCGTGT TGACCCAACTGATTCACCAGATAAATGGACTGTTTCAGGACGTGGAGAATTGCACTTG TCAATCCTTATCGAAACAATGCGTCGTGAGGGCTATGAACT

Streptococcus agalactiae

GACGTGTTTTCCGCGGGACTGTCAAAGTTGGAGATCAAGTTACTCTTTCAAAACTTGA TGGTACAACTAAAAACTTCCGCGTAACAAAACTTTTTGGTTTCTTTGGACTTGAACGT AAAGAAATCCAAGAGGCTAAAGCGGGTGATTTAATCGCTGTTTCTGGTATGGAAGATA TCTTCGTTGGTGAGACAGTAACTCCGACAGATGCTATTGAACCACTACCAGTTTTACG TATTGACGAGCCAACACTTCAAATGACTTTCTTGGTGAATAATTCACCATTTGCAGGT CGCGAAGGTAAATGGATTACGTCACGTAAGGTTGAAGAACGTCTTTTAGCAGAATTAC AAACAGACGTTTCTTTACGTGTTGACCCAACAGATTCGCCAGATAAATGGACGGTTTC AGGGCGTGGAGAATTACATTTATCTATCCTTATTGAAACAATGCGTCGTGAGGGATAT GAACTTCAAGTATCACGTCCAGAAGTTATCATCAAAGAAATTGATGGTGTTCAATGCG AGCCGTTTGAGCGTGTTCAAATTGATACTCCAGAAGAATATCAGGGTGCTATTATCCA ACGCGTTTGATTTCTTGATTCCTGCACGTGGTTTGATTGGTTATTCAACAGAGTTTC TTTCAATGACACGTGGATATGGTATCATGAATCATACTTTTGACCAGTATCTACCGGT TGTTCAAGGAGAAATTGGTGGTCGTCATCGTGGTGCCTTGGTTTCTATTGAAAATGGT AAAGCAACTACATATTCAATTATGCGTATTGAAGAACGTGGGACTATCTTTGTAAATC CAGGTATAGÁAGTTTATGAAGGAATGATTGTTGGTGAGAATTCTCGTGATAATGACCT CGGAGTCAATATTACAACTGCTAAACAAATGACAAATGTCCGTTCAGCAACTAAAGAT CAAA

Streptococcus pyogenes

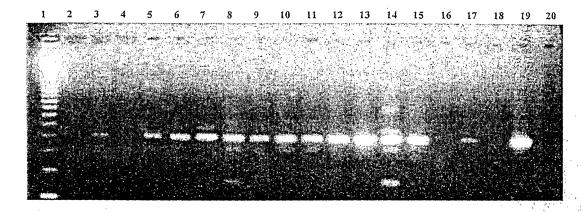
Enterococcus faecalis

GTTTGGAAATTATTGCTATGTTAAAAGGCAACCATCATGGCTATTTATCTAATCTAAG TCCTTGGGATTATGCAGCAGGCTTAGTACTTTTGGAAGAATTTGGGTTTAAATACTCT GGTATTACAGGAAAACCATTAACTTTTGCGGGTCGTGAATACTTTATTGCAGCAACTC CTGAAACCTATGATGAAGTATTTACCCGATATTTAAATGAATCGGAATAATCAAAGAA GAGCGTTGCTGAAAGGTAAGGCTCTTCCTCTTTTAAAAGAGAAAAATTTGTAAAAAAA TGTCCTTGTTTTCAGAAAAAGCCGAATAATTTCTAAAACTTTCATTATTTTTGCAGGC GAAAGCCTTTTTTTAATGAAAAAAGTTTTGCTATAATAAGCAGTCGGCTTTTATGGACT TAAGTAACATAAGCGTATATAGATAAGGAGCAATTAAATTGAAATACAGAGATGATAT TCGTAACGTGGCAATTATCGCCCACGTTGACCATGGTAAAACAACCTTAGTAGATGAA CTTTTAAAACAATCTGACACTTTAGATGGACACACACAATTACAAGAACGTGCAATGG ATTCCAATGCACTTGAAAGTGAACGTGGAATTACTATCTTAGCAAAAAATACAGCCGT AGATTATAACGGTACACGTATCAACATTCTAGATACACCAGGACACGCGGACTTCGGT GGTGAAGTAGAACGTATCATGAAAATGGTAGACGGTGTTGTTTTAGTTGTCGATGCGT ATGAAGGAACAATGCCTCAAACACGTTTCGTATTGAAAAAAGCATTAGAACAAAAAGT AACACCAATCGTGGTTGTTAACAAAATTGACAAACCTTCTGCTCGTCCTGAACACGTA GTAGATGAAGTTTTAGAGTTATTCATCGAATTAGGTGCAGACGACGATCAATTAGATT TCCCAGTTGTTTATGCTTCTGCTTTAAACGGAACTTCAAGTGAATCAGATGATCCAGC

Lactococcus lactis

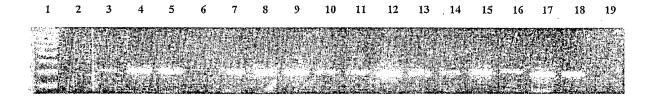
CGAAAAAGCAAGTTAAATATGTTGTAAATAATGGTGTTTACATTAGATAATACTAGTGG TGGGCCTAATTTGGCTGCACCTGTGACGGTGGATAGTCAGGTAATTTCGAACGATAAA GGTACGATTATGGGTGTAAGGACCTATACAGCAGATTTAAGCCAAGCAGAAGTAGTTA AAAAAGTGGGTAATTTGAATGCAATGTCCTTTGGAGAATTTTTGGGGTACAAAAGTTTT TGCTGCCAGCCAAAATCAGACAAATTCAGATAAGACTTATTCTGTTACGTTTAAACTG AATATAAATTGGATAGTATCTAATGGCTATGCTTCGCTAACAAAGTAACAGGTGGCT ATGGTTCTTGCATTGACCATGTTTATGTTGCTAATTCTAGTGTTACTACTGCAACGAA TGGTCAGATTAAAGGTTCAAGTGGTTATACTCAACAAGTTGATGACAAATCAGAAGGG AATAGTTTATCGTGGTCAATTACGCGAAACTATAAACCTGTAAAAGTTCCAGCAAGTG GGGCAAATGTAGGAGCTACGTATTTTGCCACACTTAAACGGGGAAATAGTACATGGAA ATAAAAATTTGGCAAGTATTTCTTGCATTCATCATTTGGATAGGAACCATGTTTCTTC CTGCAACGGTAAATCAGGCTAAATTGAATACGAATTTTGACTATAAAAAAAGTCGAGA AAATTTCTTTTTTTTTTTTTTCATCAAGTCCCTTTTTATAGTTTCATTTTGGGATTG CTTTTGCTAGTCTTATTTTTTACATTAGTTTCTTAGTTATAGCTTTTCCGTCTATGAT TATTTTTAATCATAGTTTATCTGGGAATACTTTTGGGGCTGAACTTTCTATCTTTCTA ACCTTTTATGGAGCTGGATATATTATTGCTGTTCTATTTGGTTTAGTTGCTTTTCTTT TACTCTTTCTCTACAGTTTAAGAATAAAAGAATGTTAACAACATAATCATTTTTACTG

Figure 8. Amplification du marqueur moléculaire IV (pgi) dans des bactéries à Gramnégatif



- 1. échelle ADN (123 bp)
- 2. Pseudomonas aeruginosa
- 3. Pseudomonas diminuta
- 4. Stenotraophomas maltophilia
- 5. Pseudomonas pseudoalcaligenes
- 6. Burkholderia cepacia
- 7. Pseudomonas putida
- 8. Pseudomonas syringae
- 9. Providencia stuartii
- 10. Proteus mirabilis
- 11. Proteus vulgaris
- 12. Citrobacter freundii
- 13. Enterobacter aerogenes
- 14. Klebsiella oxytoca
- 15. Klebsiella pneumoniae
- 16. Haemophilus influenzae
- 17. Leigonella pneumophila
- 18. Serratia liquefasciens
- 19. Serratia marcescens
- 20. contrôle négatif

Figure 9. Amplification du marqueur moléculaire V (carB) dans des bactéries à Gramnégatif



- 1. échelle ADN (123 bp)
- 2. Pseudomonas aeruginosa
- 3. Pseudomonas pseudoalacaligenes
- 4. Stenotrophomonas maltophilia
- 5. Citrobacter freundii
- 6. Serratia liquefasciens
- 7. Providencia stuartii
- 8. Klebsiella pneumoniae
- 9. Klebsiella oxytoca
- 10.Pseudomonas syringae
- 11.Pseudomonas putida
- 12.Enterobacter aerogenes
- 13.Pseudomonas diminuta
- 14.Proteus mirabilis
- 15.Burkholderia cepacia
- 16.Burkholderia picketti
- 17. Proteus vulgaris
- 18. Serratia marcescens
- 19.contrôle négatif

Figure 10.Marqueur moléculaire IV (pgi) séquences amplifiées à partir de diverses bactéries à Gram négatif

Citrobacter freundii

Klebsiella pneumoniae

ATCTGGTACAACACTTCTTCGGTGCGGAAACCGAAGCGATTCTGCCGTACGACCAGT
ACATGCACCGCTTTGCCGCTTACTTCCAGCAGGGCAACATGGAGTCCAACGGTAAGTA
TGTTGACCGTAACGGCCACGCGGTAGACTACCAGACTGGCCCAATCATCTGGGGTGAG
CCGGGCACCAACGGTCAGCACGCGTTCTACCAGCTGATCCACCAGGGCACCAAAATGG
TACCGTGCGATTTCATCGCTCCGGCTATCACCCACAACCCGCTGTCTGACCACCATCA
GAAACTGCTGTCTAACTTCTTCGCCCAGACCGAGGCCCTTGGCCTTTGGTAAATCCCGC
GAAGTGGTTGAGCAGGAATATCGCGATCAGGGTAAAGACCCGGCGACCCTGGAGCACG
TGGTGCCGTTCAAAGTGTTCGAAGGTAACCGCCCGACTAACTCCATCCTGCTGCGCGA
GATTACCCCGTTCAGCCTCGGGGCGCTGATTGCCCTGTACGAGCACAAAATCTTCACC
CAGGGCGCGATCCTCAACATCTTCACCTTTGACCAGTGGGGCGTTGAGCTGGGCAAAC
AGCTGGCTAACCGCATCCTGCCGGAGCTGAAAGACGGCAGCGAAGTTAGCAGCCACGA
CAGCTCTACTAACGGCCTGATTAACCGCTATA

Klebsiella oxytoca

ATCTGGTACAACACTTCTTCGGCGCTGAAACCGAAGCGATTCTGCCGTACGACCAGT
ATATGCACCGCTTTGCCGCCTACTTCCAGCAGGGCAACATGGAATCCAACGGTAAATA
CGTTGACCGTAACGGCAACGCCGTGGATTACCAGACGGGCCCGATCATCTGGGGCGAG
CCGGGCACCAACGGTCAGCACGCGTTCTATCAGCTGATTCACCAGGGGACCAAAATGG
TGCCGTGCGATTTTATCGCTCCGGCGATTACGCATAACCCGCTGTCTGACCATCATCC
GAAGCTGCTGTCTAACTTCTTTGCGCAGACCGAAGCGCTGGCGTTTGGTAAATCCCGC
GAAGTGGTTGAACAGGAATATCGCGATCAGGGTAAAGATCCCGCCGACGCTGGAACACG
TGGTGCCGTTCAAAGTGTTTGAAGGCAACCGCCCGACTAACTCCATCCTGCTGCGTGA
AATCACGCCGTTCAGTCTGGGCGCGCTGATTGCCCTGTATGAACATAAGATTTTCACC
CAGGGCGTGATTATGAACATCTTCACCTTCGACCAGTGGGGCGTTGAGCTGGGCAAAC
AGCTGGCGAACCGCCTGATTAACCGCTATA

Escherichia coli

Serratia marcescens

AAGCACTTTGCCGAAACGCCGGCGGAGAAAAACCTGCCGGTGTTGCTGGCGCTGATCG
GTATTTGGTACAACAACTTCTTTGGCGCCGAAACCGAAGCCATTCTGCCGTACGATCA
GTACATGCACCGTTTTGCCGCTTACTTCCAGCAGGGCAAGATGGAATCCAACGGCAAG
TACGTCGATCGCAACGGCAACCCGGTGGATTACCAGACCGGTCCCGTCATTTGGGGCG
AGCCGGGCACCAACGGCCAGCATGCGTTCTATCAGTTGATCCACCAGGGCACCAAGCT

GGTGCCGTGCGATTTCATCGCGCCGGCCATCAGCCATAACCCGCTGGGCGATCATCAC
GCCAAACTGCTGTCCAACTTCTTCGCTCAGACCGAAGCGCTGGCGTTCGGCAAGTCGC
TGGAAGTGGTGGAAGCCGAGTTCGCGGCGCAGGGCAAAACTCCTGAGCAGGTCAAGCA
CGTGGCGCCGTTCAAGGTGTTTGAAGGCAACCGGCCG

Figure 11. Marqueur moléculaire V (carB) séquences amplifiées à partir de diverses bactéries à Gram négatif

Neisseria gonorrhoeae

TTCGCCCTTCGACCTTATGACTGACCCTGAAATGGCGGATGTTACCTACATCGAACCG ATTATGTGGCAGACGGTGGAGAAGATTATCGCCAAGGAGCCGCCCGATGCGATTCTGC CCACGATGGGCGGTCAGACCGCGCTGAACTGTGCGCTGGATTTGGCGCGTAACGGCGT GCTGGCGAAATACAATGTCGAGTTAATCGGCGCAACGGAAGACGCGATCGACAAGGCG GAAGACCGCGGCCGCTTTAAAGAAGCGATGGAAAAAATCGGCCTCTCTTGCCCGAAAT CTTTTGTCTGCCACACCATGAACGAAGCCTTGGCGGCGCAAGAACAGGTCGGCTTTCC GACGCTGATTCGTCCGTCTTTCACGATGGGCGGTTCGGGCGGCGCGCATTGCCTACAAT AAGGATGAGTTTTTGGCGATTTGCGAACGCGGTTTCGATGCGTCGCCTACGCATGAGC TGCTGATTGAGCAGTCTGTGCTCGGCTGGAAAGAGTACGAGATGGAAGTGGTGCGCGA TAAGGCGGACAACTGCATCATCTGTTCGATTGAAAACTTCGACCCGATGGGCGTT CATACGGCGACTCGATTACGGTTGCGCCGGCGCAAACGCTGACGGACAAGGAATACC AAATCATGCGCAACGCTTCGTTGGCGGTATTGCGCGAAATCGGCGTGGACACGGGCGG CTCGAACGTGCAGTTTGCGGTGAACCCTGAAAACGGCGAGATGATTGTGATCGAGATG AACCCGCGCGTGAGCCGTTCGTCCGCGCTGGCTTCCAAAGCAACGGGCTTCCCGATTG CGAAGGTGGCGGCGAAGCTGGCGGTCGGCTTTACGCTGGACGAGTTGCGCAACGACAT CACCGGCGGCCGCCGCGTCGTTCGAGCCTTCCATCGACTATGTGGTAACCAAA ATCCCGCGTTTCGCGTTTGAAAAATTCCCCGCCGCAGACGACCGCCTGACCACGCAGA TGAAATCAGTAGGCGAAGTAAGGGCGAATTCCAGCACACTGGCGGCCGTTACTAGTGG ATCCGAGCTCGGTACCAAGCTTGATGCATAGCTTGAGTATTCTAACGCGTCACCTAAA T

Serratia marcescens

TTTNGNATTCGCCCTTCGACGATTATGACTGACCCGGCAAATGGCGGATGCAACCTAC
ATCGAGCCAATTCACTGGGAAGTGGTACGTAAAATCATCGAGAAAGAGCGTCCGGATG
CGGTTCTGCCGACCATGGGTGGCCAGACTGCGCTGAACTGTGCGCTGGAGCTGGAGCG
TCAGGGCGTGCTGGAAGAGTTCGGCGTGACCATGATTGGTGCGACCGCCGACGCGATT
GATAAAGCAGAAGACCGTCGTCGCTTCGACGTGGCGATGAAAAAAATCGGCCTCGACA
CCCGCGCGTTCCGGTATCGCTCACAACATGGAAGAGGCGCTGGCCGTTGCGGCTGAAG
TGGGTTATCCGTGCATCATCCGTCCTTCACCATGGGCGGCGCACCGGCGGCGTAT

Citrobacter freundii

TCGCCCTTCGACTATTATGACTGACCCGGAAATGGCCGATGCCACCTACATCGAGCCG ATTCACTGGGAAGTGGTACGCAAAATCATTGAGAAAGAGCGCCCGGATGCGGTGCTGC CAACCATGGGCGGTCAGACGGCGCTGAACTGTGCGCTGGAGCTGGAACGCCAGGGCGT ACTGGCTGAATTCGGCGTGACCATGATTGGCGCAACGGCGGATGCCATTGATAAAGCG GAAGACCGTCGTCGCTTTGATATCGCGATGAAGAAAATTGGTCTCGACACCGCGCGCT CTGGCATCGCTCACACCATGGAAGAGCGCTGGCGGTTGCTGACGTGGGCTTCCC GTGCATCATCCGACCGAGCTTCACCATGGGCGGCACCGGCGGCGGTATCGCTTATAAC TGCTGATTGATGAATCGCTGATTGGCTGGAAAGAGTACGAGATGGAAGTGGTGCGTGA TAAAAACGACAACTGCATCATCGTCTGCTCCATCGAAAACTTCGACGCGATGGGCATC CATACCGGTGACTCCATCACCGTAGCACCTGCCCAGACGCTGACCGACAAAGAATATC AAATCATGCGTAACGCCTCGATGGCGGTACTGCGTGAAATCGCGTGGAAACCGGCGG TTCTAACGTCCAGTTTGCGGTAAACCCGAAAAACGGTCGCCTGATTGTCATCGAGATG AACCCGCGCGTATCCCGCTCTCGGCGCTGGCGTCCAAAGCTACCGGCTTCCCGATTG CGAAAGTCGCCGCCAAGCTGGCCGTAGGTTACACCCTCGACGAACTGATGAACGACAC CACCGGCGGCCTACTCCGGCCTCGTTTGAGCCGTCCATCGACTACGTTGTGACGAAA ATTCCACGCTTCAACTTCGAGAAATTCGTTGGTGCTAATGACCGTCTGACCACGCAGA TGAAATCAGTAGGAGAAGTAAGGGCGAATTCCAGCACACTGGCGGCCGTTACTAGTGG ATCCGAGCTCGGTACCAAGCTTGATGCATAGCTTGAGTATTCTAACGCGTCACCTAAA TAGCTGGCG

Enterobacter aerogenes

TTNCGNATTCGCCCTTCGACGATTATGACTGATCCGGAAATGGCCGATGCGACCTACA TCGAGCCGATTCACTGGGAAGTAGTACGCAAGATTATTGAAAAAGAGCGCCCGGACGC GGTGCTGCCAACGATGGGCGGTCAGACGGCGCTGAACTGCGCGCTGGAGCTGGAGCGT CAGGGCGTGTTGGAAGAGTTCGGCGTGACTATGATTGGTGCGACCGCCGATGCGATTG ATAAAGCAGAAGACCGCCGTCGTTTCGACGTAGCGATGAAGAAAATTGGTCTGGAAAC CGCGCGTTCCGGTATCGCACACACGATGGAAGAAGCGCTGGCGGTTGCCGNTGACTGG GCTTCCCGTGCATTATTNGNCCCATCCTTTACCATGGGCGGTAGCGGCGGCGGTATCG CTTATAACCGCGAAGAGTTGAAGAAATTTGCGCCCGCGGTCAGGATCTCTCCCCAACC AAAGAGCTGCTGATTGATGAGTCGCTGATCGGCTGGAAAGAGTACGAGATGGAAGTGG TGCGTGATAAAAACGACAACTGCATCATCGTCTGCTCTATCGAAAACTTTGATGCGAT GGGCATCCATACCGGTGACTCCATCACTGTCGCGCCAGCCCAAACGCTGACCGACAAA GAATATCAAATCATGCGTAACGCCTCGATGGCGGTGCTGCGTGAAATCGGCGTTGAAA CCGGTGGTTCCAATGTCCAGTTTGCGGTGAACCCGAAAAACGGTCGCCTGATTGTTAT CGAAATGAACCCACGCGTGTCCCGTTCTTCGGCGCTGGCGTCGAAAGCGACCGGTTTC CCGATTGCTAAAGTGGCGGCGAAACTGGCGGTGGGTTACATCCTCGACGAACTGATGA ACGACATCACTGGCGGACGTACTCCGGCCTCCTTCGAGCCGTCCATCGACTATGTGGT TACTAAAATTCCTCGCTTCAACTTCGAAAAATTCGCTGGTGCTAACGACCGTCTGACC ACTCAGATGAAATCCGTAGGTGAAGTAAGGGCGAATTCCAGCACACTGGCGGCCGTTA CTAGTGGATCCGAGCTCGGTACCAAGCTTGATGCATAGNCTTGAGTATTCTAACGCGT CACCTAAATAGGCTGGCGTAANC

Enterobacter cloacae

GATAAAAACGACAACTGCATCATCGTCTGCTCCATCGAAAACTTCGATGCGATGGGTA
TCCACACCGGCGACTCCATTACCGTTGCGCCAGCGCAAACGCTGACCGACAAAGAGTA
CCAAATCATGCGTAACGCATCGATGGCGGTACTGCGTGAAATCGGCGTCGAAACCGGT
GGTTCTAACGTGCAGTTCTCGGTGAACCCGAAAACCGGCCGTCTGATTGTTATCGAAA
TGAACCCGCGCGTGTCCCGCTCCTCCGCGCTGGCTTCTAAAGCGACCGGCTTCCCGAT
TGCGAAGGTGGCGGCGAAACTGGCGGTCGGTTACACCCTTGACGAGCTGATGAACGAT
ATCACCGGGGGCCGCACGCCTGCGTCCTTCGAACCGTCTATCGACTACGTTGTGACCA
AAATTCCACGCTTCAACTTCGAGAAATTCGCTGGCGCGAACGACCGTCTGACCACCCA
GATGAAATCAGTCGGCGAAGTAAGGGCGAATTCCAGCACACTGGCGGCCGTTACTAGT
GGATCCGAGCTCGGTACCAAGCTTGATGCATAGNCTTGAGTATTNCTAACGCGTCACC
TAAATNGTCTGGCGAA

Morganella morganii

TTGGAGTCGCCTCTTCGACGATTATGACTGATCCGGCAAATGGCGGATGCGACTTACA TCGAGCCGATTCACTGGGAAGTGGTGCGCAAAATCATCGAAAAAGAGCGCCCGGATGC CGTTCTGCCGACCATGGGCGGACAAACCGCGCTGAACTGTGCGCTGGATCTGGAACGT CACGGCGTGCTGGCAGAGTTCGGCGTCGAAATGATTGGCGCGACAGCAGATGCGATTG ATAAAGCCGAAGATCGCCGCCGTTTCGATATCGCGATGAAAAAAATCGGTCTGGATAC AGCGCGTTCCGGTATCGCACACACCATGGAAGAGCGTTTGCGGTCGCTGAAGATGTC TTATAACCGTGAAGAATTTGAAGAAATTTGTACTCGTGGATTAGATTTATCACCGACT AACGAGTTATTGATTGATGAATCACTTATTGGTTGGAAAGAGTATGAAATGGAGGTGG TGCGCGATAAAAACGACAACTGCATTATTGTCTGCTCTATCGAAAACTTTGATGCGAT GGGTATCCATACTGGAGATTCGATTACGGTTGCACCAGCTCAAACGTTAACGGATAAA GAGTACCAAATTATGCGTAATGCCTCGATGGCAĢTCTTACGCGAAATTGGTGTTGAAA CAGGTGGCTCTAACGTTCAGTTTGCTGTTGACCCAAAAACAGGACGCTTAATTGTTAT TGAGATGAATCCACGTGTTTCACGTTCATCAGCGCTAGCGTCAAAAGCGACAGGATTT CCTATCGCTAAAATAGCGGCAAAACTGGCTGTGGGTTATACCCTTGATGAGTTAATGA ATGATATCACTGGCGGTAGAACGCCTGCCTCTTTTGAGCCTTCTATCGATTATGTGGT AACAAAAATTCCTCGATTTAATTTTGAAAAATTCGCAGGTACTAATGACAGATTAACC ACACAAATGAAATCCGTAGGCGAGTAAGGGCGAATTCCAGCACACTGGCGGCCGTTAC TAGTGGATCCGAGCTCGGTACCAAGCTTGATGCATAGCTTGAGTATTCTAACGCGTCA CCTAAATA

Escherichia coli

CACGACGCCGCGCGTTGTTCGACCACTTTATCGAGTTAATTGAGCAGTACCGTAAAA CCGCTAAGTAATCAGGAGTAAAAGAGCCATGCCAAAACGTACAGATATAAAAAGTATC $\mathtt{CTGATTCTGGGTGCGGGCCCGATTGTTATCGGTCAGGCGTGTGAGTTTGACTACTCTG}$ GCGCGCAAGCGTGTAAAGCCCTGCGTGAAGAGGGTTACCGCGTCATTCTGGTGAACTC CAACCCGGCGACCATCATGACCGACCCGGAAATGGCTGATGCAACCTACATCGAGCCG ATTCACTGGGAAGTTGTACGCAAGATTATTGAAAAAGAGCGCCCGGACGCGGTGCTGC CAACGATGGCGGTCAGACGGCGCTGAACTGCGCGCTGGAGCTGGAACGTCAGGGCGT GTTGGAAGAGTTCGGTGTCACCATGATTGGTGCCACTGCCGATGCGATTGATAAAGCA GAAGACCGCCGTCGTTTCGACGTAGCGATGAAGAAAATTGGTCTGGAAACCGCGCGTT CCGGTATCGCACACGATGGAAGAGCGCTGGCGGTTGCCGCTGACGTGGGCTTCCC GTGCATTATTCGCCCATCCTTTACCATGGGCGGTAGCGGCGGCGGTATCGCTTATAAC TGCTGATTGATGAGTCGCTGATCGGCTGGAAAGAGTACGAGATGGAAGTGGTGCGTGA TAAAAACGACAACTGCATCATCGTCTGCTCTATCGAAAACTTCGATGCGATGGGCATC CACACCGGTGACTCCATCACTGTCGCGCCAGCCCAAACGCTGACCGACAAAGAATATC AAATCATGCGTAACGCCTCGATGGCGGTGCTGCGTGAAATCGGCGTTGAAACCGGTGG TTCCAACGTTCAGTTTGCGGTGAACCCGAAAAACGGTCGTCTGATTGTTATCGAAATG AACCCACGCGTGTCCCGTTCTTCGGCGCTGGCGTCGAAAGCGACCGGTTTCCCGATTG CTAAAGTGGCGCGAAACTGGCGGTGGGTTACACCCTCGACGAACTGATGAACGACAT CACTGGCGGACGTACTCCGGCCTCCTTCGAGCCGTCCATCGACTATGTGGTTACTAAA ATTCCTCGCTTCAACTTCGAAAAATTCGCCGGTGCTAACGACCGTCTGACCACTCAGA AGCGCTGCGCGCCTGGAAGTCGGTGCGACTGGATTCGACCCGAAAGTGAGCCTGGAT GACCCGGAAGCGTTAACCAAAATCCGTCGCGAACTGAAAGACGCAG

Proteus mirabilis

TCTTTCGNATTCGCCCTTCGACTATTATGACTGATCCTGAAATGGCAGATGCCACTTA
TATTGAGCCTATTCATTGGCAAGTGGTCAGAAAGATTATTGAGAAAGAGCGCCCTGAT
GCCATATTACCGACAATGGGCGGACAAACGGCATTAAACTGTGCCTTAGAATTAGAGC
GTCAAGGGGTGTTAACTGAATTTGGCGTAACAATGATAGGTGCAACGGCTGATGCTAT
TGATAAAGCGGAAGATAGACAACGCTTTGATAAAGCGATGAAAAAAATTGGTCTGGAT

ACGGCTCGTTCAGGCATCGCTCATACTATGGACGAAGCATTTGCAGTGGCTGAGCAAG
TGGGTTTCCCTTGTATTATTCGCCCTTCATTTACTATGGGGGGAACGGGAGCGGGAT
CGCCTATAATCGTGAGGAATTTGAAGAAATTTGTACTCGAGGTTTAGATTTATCACCG
ACAAATGAACTATTAATTGATGAATCATTAATTGGCTGGAAAGAGTATGAAAACTGAAG
TGGTGCGCGATAAAAAATGATAACTGCATTATCGTTTGCTCCATTGAAAACTTTGATGC
GATGGGGATCCATACCGGTGACTCTATCACGGTTGCTCCAGCGCAAACGCTAACAGAC
AAAGAATATCAAATTATGCGTAATGCCTCGATGGCAGTATTACGCGAGATTGGGGTTG
AAACCGGTGGCCCCAATGTGCAATTTGCCGTTGATCCTAAAACAGGGCGTTTAATTGT
TATTGAAATGAACCCTCGTGTTTCTCGCTCATCAGCATTAGCGTCAAAAAGCAACAGGT
TTCCCAATTGCAAAAGTCGCGGCAAAACTTGCAGTAGGTTATACCCTCGATGAGTTGA
TGAATGATATCACTGGAGGAAGAACCCCAGCCTCTTTTGAACCTTCTATTGATTATGT
AGTGACTAAAAATCCCTCGCTTTAACTTTGAAAAATTTGCCGGTACCAATGACCGTTTA
ACCACGCAAATGAAGTCCGTAGGCGAAGTAAGGGCGAATTCCAGCACACTGGCGGCCG
TTACTAGTGGATCCGAGCTCGGTACCAAGCTTGATGCTTGAGTATTCTAACGA
GTCACCTAAATGCTGGCG

Proteus vulagaris

ATTCGCCCTTCGACGATTATGACTGATCCTGAAATGGCGGATGCCACCTACATCGAGC CTATTCATTGGCAAGTCGTCAGAAAAATTATTGAAAAAGAGCGCCCTGATGCGATTTT GCCAACAATGGGGGGGCAAACGGCATTAAATTGCGCATTAGAATTAGAACGTCAAGGT GTGTTAGCTGAATTCGGTGTGACCATGATTGGTGCTACGGCCGATGCTATCGATAAAG CAGAAGATAGACAACGCTTTGATAAAGCAATGAAAAAAATCGGCTTAGGCACAGCTCG CTCAGGTATTGCTCATAATCTAGAAGAAGCTTTTGCCGTCGCTGAAGATGTCGGATTC ACCGTGAAGAATTTGAAGAAATTTGTACTCGTGGATTAGATTTATCACCGACTAACGA GTTATTGATTGATCACTTATTGGTTGGAAAGAGTATGAAATGGAGGTGGTGCGC GATAAAAACGACAACTGCATTATTGTCTGCTCTATCGAAAACTTTGATGCGATGGGTA TCCATACTGGAGATTCGATTACGGTTGCACCAGCTCAAACGTTAACGGATAAAGAGTA CCAAATTATGCGTAATGCCTCGATGGCAGTCTTACGCGAAATTGGTGTTGAAACAGGT GGCTCTAACGTTCAGTTTGCTGTTGACCCAAAACAGGACGCTTAATTGNTATTGAGAT GAATCCNCGTGTTTCACGTTCATCAGCGCTAGCGTCAAAAGCGACAGGATTTCCTATC TCACTGGCGGTAGAACGCCTGCTTTTTGAGCCTTCTATCGATTATGTGGTAACAAA AATTCCTCGATTTAATTTTGAAAAATTCGCAGGTACTAATGACAGATTAGCCACACAA
ATGAAATCCGTTGGCGAAGTAAGGGCGAATTCCAGCACACTGGCGGCCGTTACTAGTG
GATCCGAGCTCGGTACCAAGCTTGATGCATAGCTTGAGTATTCTAACGCGTCACCTAA
ATGGCTGGCG

Neisseria meningitidis

CCAAACGTACCGACCTAAAATCCATCCTTATCATCGGCGCCGGCCCTATCGTTATCGG TCAGGCCTGCGAATTTGACTATTCGGGCGCACAGGCCTGCAAGGCTTTGCGTGAAGAA TGGCGGATGTTACCTACATCGAGCCGATTATGTGGCAGACGGTGGAGAAGATTATCGC CAAGGAGCGGCCTGATGCGATTCTGCCCACGATGGGCGGTCAGACCGCGCTGAACTGT GCGCTGGATTTGGCACGCAACGGCGTGCTGGCAAAATACAATGTCGAGCTGATTGGCG CGACGGAAGACGCGATCGACAAGGCGGAAGACCGCGGCCGCTTTAAAGAAGCGATGGA AAAAATCGGTTTGTCTTGCCCGAAATCTTTTGTCTGCCACACGATGAACGAAGCTTTG GCGGCGCAGGAGCAGGTCGGCTTCCCGACGCTGATTCGTCCTTCTTTCACGATGGGCG GTTCGGGCGGCGTTGCCTACAATAAGACGAGTTTTTGGCGATTTGCGAACGCGG GAGTACGAGATGGAGGTGGTGCGCGATAAGAACGATAACTGCATCATCATTTGCTCGA TTGAAAACTTCGACCGATGGGCGTGCATACGGGCGACTCGATTACGGTTGCGCCGGC GCAAACATTGACAGACAAAGAATACCAAATCATGCGTAATGCTTCGTTGGCAGTATTG CGCGAAATCGGCGTGGACACGGGTGGCTCAAACGTGCAGTTTGCGGTGAACCCTGAAA ACGGCGAGATGATTGTGATTGAGATGAACCCGCGCGTGAGCCGTTCATCCGCGCTGGC TTCCAAAGCGACGGCTTCCCGATTGCGAAGGTGGCGGCGAAACTGGCGGTCGGCTTT ACGCTGGACGAGTTGCGCAACGACATCACCGGCGGTCGCACGCCCGCGTCGTTCGAGC CTTCGATTGATTATGTGGTAACCAAAATCCCGCGTTTCGCGTTTGAAAAATTCCCCGC CGCAGACGACCGCCTGACTACGCAGATGAAATCGGTGGGCGAAGTGATGGCGATGGGA CGCACGATTCAGGAAAGTTTCCAAAAAGCCCTGCGCGGCTTGGAAACAGGCTTGTGCG GCTTCAATCCGAGAAGCTCCGACAAAGCGGAAATCCGCCGCG

Klebsiella oxytoca

ATTCGCCCTTCGACTATTATGACCGACCCGGAAATGGCCGATGCCACCTACATCGAGC CGATTCACTGGGAAGTGGTGCGCAAGATCATTGAGAAAGAGCGTCCGGATGCGGTTCT GCCGACCATGGGCGGCCAGACGGCGCTGAACTGCGCGCTGGAGCTGGAGCGTCAGGGC GTGCTGGCCGAGTTCGGCGTGACCATGATTGGCGCGACCGCCGACGCGATTGATAAAG CCGAAGACCGCCGCTTTCGACGTGGCGATGAAGAAATCGGTCTCGATACCGCGCG TTCCGGTATCGCGCATACCATGGAAGAGCGCTGGCGGTTGCCGCTGAAGTTGGCTTC CCGTGCATCATCCGTCCGTCCTTTACGATGGGCGGCACCGGCGGCGGTATCGCCTACA ACCGCGAAGAGTTCGAAGAGATCTGCGAACGCGGTCTGGATCTCTCGCCGACCAACGA GCTGCTGATTGATGAATCGCTGATCGGCTGGAAAGAGTACGAGATGGAAGTGCGT GATAAAACGACAACTGCATCATCGTCTGCTCCATCGAAAACTTCGACGCGATGGGCGT CCACACCGGCGACTCCATCACCGTGGCGCCGCGCGCAGACCCTGACCGACAAAGAGTAC CAAATCATGCGTAACGCCTCGATGGCGGTACTGCGTGAAATCGGCGTAGAGACCGGCG GTTCCAACGTTCAGTTCTCGGTGAACCCGAAAGATGGTCGCCTGATCGTTATCGAAAT GAACCCGCGCTCTCCCGCTCCTCGGCGCTCCCGAAAGCCACCGGCTTCCCGATC GCTAAAGTGGCGGCGAAGCTGGCGGTTGGTTACACCCTTGATGAGCTGATGAACGATA TCACCGGCGGCCGCACCCCGGCGTCGTTTGAGCCGTCCATCGACTACGTCGTGACCAA AATCCCACGCTTCAACTTTGAAAAATTCGTCGGCGCGAACGACCGTCTGACCACCCAG ATGAAATCCGTCGGGGAAGTAAGGGCGAATTCCAGCACACTGGCGGCCGTTACTAGTG GATCCGAGCTCGGTACCAAGCTTGATGCATAGCTTGAGTATTCTAACGCGTCACCTAA Α

Legionella pneumophila

TTCGCCTTCGACTATTATGACTGATCCTGAGCTTGCTGATGCCACCTATATAGAGCC
TGTTCAATGGAAAGAAGTGGCTCGTATTATCGAAATAGAGAGGCCAGATGCTCTTTTA
CCGACGATGGGAGGACAAACAGCCTTAAACAGCGCCTTGGACTTGGTAAGAGAAGGGG
TATTAGCCAAGTACTCTGTTGAAATGATAGGAGCGACGCGTGAAGCCATAGACAGGGC
GGAAGATAGAGAAAAATTTCGCCAGCTGATGATTAAAATCGGATTGGATATGCCAAGG
TCGGCGATTGCTCATAGCCTGGAAGAAGCAATTCAAGTACAAGCCCGTTTAGGCTTTC
CTGCCATCATCAGGCCTTCATTTACCATGGGTGGTAGTGGAGGCGGTATTGCCTATAA
TCGTGAAGAATTTGAAGAAAATTTGCATTAGAGGATTGGAGTTGTCGCCAACTCACGAG
CTTTTGATTGATGAATCGGTTCTGGGTTGGAAAGAATTTTGACCTTATGGGAGT
GCATACTGGAGATTCCATTATCTTTTTTTTTATATAGAGAATTTTGACCCTATGGGAGT
CAACGGATGCGGGATGCGGCGATTAAAGTTCTAAGGGCAGTTGGTGTGGAAAATGCGAACGGGTTCGGGAGA
GTTCCAACGTTCGGTTTGCTATTAATCCTGAAGACGGCGCGCATGCTGGTTGTGGAAAT
GAACCCGCGTGTATCTCGAAGCTCGGCTTTGCGCTCAAAAGCAACCGGTTTTTCCTATT

GCTAAGGTCGCAGCTAAATTGGCTGTGGGCTATACCTTGGATGAATTGAAAAACGAAA
TCACCGGAGGTAAAACACCTGCGTCCTTTGAGCCCAGCATTGATTACGTCGTTACCAA
AGTTCCACGGTTTAATTTTGATAAATTTCCACAAACTCCAGATACTCTTACCACACAG
ATGAAATCAGTCGGCGAAGTAAGGGCGAATTCCAGCACACTGGCGGCCGTTACTAGTG
GATCCGAGCTCGGTACCAAGCTTGATGCATAGNCTTGAGTATTNCTAACGCGTCACCT
AAATAGCTGGCGAAA

Morganella morganii

TTGGAGTCGCCTCTTCGACGATTATGACTGATCCGGCAAATGGCGGATGCGACTTACA TCGAGCCGATTCACTGGGAAGTGGTGCGCAAAATCATCGAAAAAGAGCGCCCGGATGC CGTTCTGCCGACCATGGGCGGACAAACCGCGCTGAACTGTGCGCTGGATCTGGAACGT CACGGCGTGCTGGCAGAGTTCGGCGTCGAAATGATTGGCGCGACAGCAGATGCGATTG ATAAAGCCGAAGATCGCCGCCGTTTCGATATCGCGATGAAAAAAATCGGTCTGGATAC AGCGCGTTCCGGTATCGCACACACCATGGAAGAGCGTTTGCGGTCGCTGAAGATGTC TTATAACCGTGAAGAATTTGAAGAAATTTGTACTCGTGGATTAGATTTATCACCGACT AACGAGTTATTGATTGATGAATCACTTATTGGTTGGAAAGAGTATGAAATGGAGGTGG TGCGCGATAAAAACGACAACTGCATTATTGTCTGCTCTATCGAAAACTTTGATGCGAT GGGTATCCATACTGGAGATTCGATTACGGTTGCACCAGCTCAAACGTTAACGGATAAA GAGTACCAAATTATGCGTAATGCCTCGATGGCAGTCTTACGCGAAATTGGTGTTGAAA CAGGTGGCTCTAACGTTCAGTTTGCTGTTGACCCAAAAACAGGACGCTTAATTGTTAT TGAGATGAATCCACGTGTTTCACGTTCATCAGCGCTAGCGTCAAAAGCGACAGGATTT CCTATCGCTAAAATAGCGGCAAAACTGGCTGTGGGTTATACCCTTGATGAGTTAATGA ATGATATCACTGGCGGTAGAACGCCTGCCTCTTTTGAGCCTTCTATCGATTATGTGGT AACAAAATTCCTCGATTTAATTTTGAAAAATTCGCAGGTACTAATGACAGATTAACC ACACAATGAAATCCGTAGGCGAGTAAGGGCGAÄTTCCAGCACACTGGCGGCCGTTAC TAGTGGATCCGAGCTCGGTACCAAGCTTGATGCATAGCTTGAGTATTCTAACGCGTCA CCTAAATA

Figure 12. Marqueur moléculaire VI (yigC) dans des bactéries à Gram négatif

Pseudomonas aeruginosa

tccaccagcagcgccgcagatatggcagttgccgttgcggcagctctgcggacagt egtagecaageegeegggegeeategaggatgegtteeeeeggeageagetegaggea ggcgccggacggttgcaggacgatacgcatcagtcgatcccgaggctcgaccagaggg egtegatgegeegtgteacegettegteettgaegatggegegeeeeattegegget ggtctcgcccggccacttgtgggtggcatcaagccccatcttcgagccgaggccggaa accggcgaggcgaagtcgaggtagtcgatgggcgtgttgtcgatcatcaccgtgtcgc gcttggggtccatccgcgtggtgatggcccagatcacatcgttccagtcgcgcgcatc gatgteategteggtgaegatgaegaaettggtgtaeatgaaetgeegeaggaaegae cagaccccgagcatcacgcgcttggcgtgccctgggtactgcttcttcatggtcacca ccgccatccggtaggaacaaccttccggcggcaggtagaaatcgacgatttccgggaa etgettetgeaggateggeaegaacaettegtteagegeeaeceegaggategeegge tcgtccggcggacgcccggtgtaggtgctgtggtagatcggtttctgccggcgggtga cgcgctcgacggtgaacaccgggaagcgatcgacctcgttgtagtagccggtgtgatc gccataggggccttcgtcggccatctcgccggggtggatcaccccttcgaggacgatc teggegetggeeggeacetgeaagtegeteeeggaeacttgaeeageteggtaegat gcccgcgcaacaggccggcgaaagcgtattcggaaagggtgtcccggcaccggcgtcac cgcaccgaggatggtcgccggatcggcgcccagcgccacggctaccggatagggctgg cccggatgcttctggcaccactcgcggtagtccagtgcgccgccgcgatggctgagcc agcgcatgatcaccttgttgcggccgatcacctgctggcggtagatgcccaggttctg ccgttccttgttcggcccgcgggtaacggtcaggccccaggtgatcagcggcccgaca tcgcccggccagcaggtctggaccggcagccggccgaggtcgacgtcctcgccctcct cgaccacttectggcagggggcgtccttgagcaccttcggcgccatggacaggacctt cctgtacatcggcagcttggcccaggcgtccttgaggcccttcggcggctcgggctcc ttgagttgegecageagettgeegatetegegeagtgegeegaegteeteggegeeea tgcccagcgccacgcgctccggcgtaccgaacaggttgccgagcaccggcatgtcgaa gccggtcggcttttcgaacagcaatgccgggcccttggcgcgcaacgtgcggtcgcac accteggteatetegageaeggggaaateggeaeetggatgegetteaaegeaeege gctgctccagctgggcgatgaaatcgcggagatccttgaacgtcattggcctaaccat

tcactgcaagacccacatcctacctgctcccggcccatccggcagcagcagcaaccgcg gcattcggtcactgctggctggcgatcctcgagtcgtcgaggctctgtagcatcggct cgaacaaaggcccgagttcatgggccccctgggtcgaaaggtggttgttatccatgta ca

Pseudomonas syringae

ecgagcagacatggeagttaecgttgegacagetttgegggeatteatggeceageeg ctgtgcagcatccagaatccgctcgcccggcagggtttcgagtaccgcacccgagggc tgcaaggttacacgcatcagtctattcccaactgagtccagatctcgtccacccggcg cgtggttggcttcgtccttgacgatcgccctgccccattcgcgggtggtttccccttggc catttgttagtggcatccaggcccatttttgatcccaatccagacaccggagaggcaa aatcgaggtaatcgatgggcgtgttgtcgatcatgaccgtgtcgcgcttggggtccat gcgggtggtgatggcccagatcacgtcattccagtcacgcgcattgatgtcgtcatcg gtgacgatcacaaatttggtgtacataaactggcgcaggaacgaccagacgcccagca tcacgcgcttggcatggccggggtactgtttcttgatagtcaccaccgccatgcggta agagcacccctcgggcggcaggtagaaatcgacgatttccggaaactgcttctgcaga atcggcacgaacacttcgttcagcgccacacccaggatagccggctcgtccggtggac gagcaccggaaagctgtcgacttcgttgtaataaccggtgtgatcgccgtaggggcct tcgttggccatctcgcccggatgaatcacgccctcaagcacgatttcggcactggctg gcacttgcaggttgctgccacggcacttgatcagctcggtgcgcgagccacgcagtag cccggcgaaggcgtattcggacaggctgtcgggcaccggcgtcacggcaccgagaatg gtcgccgggtccgcccagtgcgacggccaccggataaggctcgccaggatgcttga cgcaccagtcgcggaagtcaagcgcgccaccgcgatggctgagccagcgcatgatgat cttgttgcggccgatgacctgctggcgataaataccgaggttctgccgctccttgttc gggcctttggtcacggtcaggccccaggtgatcagcggcgacatcgcccggccagc aggtctgcaccggcaacatgccgagatcgacgtcatcaccctcgatgacgatctcctg gcagggtgcatccttgacgaccttgggcgccatggcgatgactttgcggaagatgggc agcttggaccaggcatctttcaggcctttgggcggctcgggctccttgagaaacgcaa gcaacttgccgatttcgcgcagctcggtgacggcttccgcgcccatgcccatggccac gcgctccggcgtgccgaacaggttgcccagcaccggaatatcaaagccaaccgggttt tcaaacagcagggccgggcctttggcgcgcaaggtacggtcacagatttcagtcattt ccagcacaggcgagatcggcatctgaatgcgtttcaactctccgcgctgctccaactg

Bordetella parapertussis

aratggtgatgggggggggccgggctcgggcctgctcaagctggccggcgtggc gctggtgggctggcaggcataccggatctggcagtccgcgcgaggagcgccaggcc gattgagccaggccggcaggcggccggcgccgccgcggcattgctacagtccc agegtgtcccacatggcatccacccggcgcttgaccgcctcgtccatgtgtatgggcg accagcaccgtgtcgcgcacggggtccatgcgcgtggtcatggcccagaccacttcgg tccagtcgcgcgggtcgatgtcttcgtcgaccaccacgatgaacttggtgtacatgaa ctgccgcagcacgctccacaggccgaacatcacgcgcttggcgtggccggcgtactgc ttgcggatcgacaccaccgccaggcggtagctgcagccttccggggggcaggtagaaat cgacgatttcgggcagctggcgcagcagcagcacgaatacctcgttcagcgccac gcccagcacggccggctcgtcgggcggcttgccggtataggtggagtggtagatgggg ttgcgccgcatggtgatgcggtccaccgtgaacaccgggaaccagtcctgctcgttgt agtagccggtatggtcgccataggggccttcgagggccatttcgtagccggtggccgg agcaggtggccctcgagcacgatctcggccgaggccggcacqgacaggtcgctgccca gegeettgaegaeeteggtgegegageegegeageeggegaaetggtattegga cagcgtgtccggcaccggcgtgaccgcgtccaggatggtggccgggtcggcacccagc gccacggcgatgggaaacgacttgcccgggtgggcctgggcgtggtcgcggaagtcca gegegeegeegetgegaeageeagegeatgateagettgtteggeeeeageggetg ctggcggtagatacccaggttctgccgccgggcgttcggcccgcgcgtgatcaccagg cccaggcgagcagggcgccacatcgcccggccagcaggtctggatgggcaggcggc ccaggtcgacgtcggcgcttcccagacgatttcctggcaggcggcgctgcgcacggt cttggggctcatgtcccacagggcggctttcagcatggacaccttggccagcgcgtcg cgcaggcccttgggcgcttcgggctcgcgcaggaggccagcagttcgccggtttcgc gcagggcgccgacgtcgtcggcccccatgccccaggcgacccgccgcggcgtgccgaa

Neisseria meningitidis

acagaaaatcctcgaagacaccctgctggaacaatggcagtggctcaaacctaaagaa ccgtaaacatcctgcgtacacaaatgccgtctgaaacgccccacgcttcagacggca gaccgtaaaacctacaaccccaattcctcccaaatctcatcaatcttagccgtaaccg ggtcgcatccaaacccattttgccgccaagtccgctgacggggctggcgaagtcgagg tagtcgatggcgtgttttccatcaaaacggtatcgcgcacggggtccatgcgcgtgg ttaccgcccagatgacttctttccagtcgcgcacatccacatcgtcatccaccacaat gatgaatttggtgtacataaactggcgcaggaacgaccagcagccatcatcacgcgc ttggcgtgtccqqcqtactqttttttcatgctcaccaccgccatgcggtaggagcagc cttcgggcggcaggtaaaaatcggtgatttcggggaactgcttttgcaaaagcggtac gaacacttcgttcaacgccacgcccaaaacggcgggttcatcgggcggtttgcctgtg taggtagagtggtaaatcgggttttcgcgcatggtgatgcgttcgaccgtaaacacgg ggaaatggtcctgctcgttgtaatagcccgtgtggtcgccgtatggaccttccaacgc aaatcgttgccgatacatttcaccagttccgtccgcgaaccgcgcagcagtccggcaa actggtattcgctcaaggtatcgggaacgggcgttaccgcgcccaaaatggtggcagg gtcgcagccgagcacgacggcgacgggatacggcgtatcgggattgagtttgcggaat tgccgattaattgttggcggtaaatgccgagatttttggcgttttttgtgcggcccgcg cgtgacggtcaaqccccacqttaccaqcggcgcaacgtcttccggccagcaatgctga atcggaagttgatacaaatcaacgtcttcgccttcccatacgatttcctgacacggcg catttttcaccacgttcggcgccatgctccaaatgtctttcaagagcggcagtttgga aaacgcgtctttaatgcctttgggcggttcgggttctttcaaatacgccagcgtctgc ccgatttcgcqcaqcttggacacqctqtccgcgcccatgcccatcgccacacgttcgg

gcgtgccgaacaggtttgccaacacgggataatcatagcgcgtaccgtcgggcttaac tgggtgttcaaacaacaacacgccggcccttcggcgcgcagcacgcggtcggcgatttcg gtcatttccaaatgcggggaaacggggtgcgcgatgcgtttgagtttgccctgcttcgacatgcgatgaagtcgcgcaggtctttgtatttcatattcatcctttttgtcct cgagcatggcgatgaagtcgcgcaggtctttgtatttcatattcatcctttttgtcct tttatcctgagcaatccgattcggataccgcccctatccttgcctgcgcttcggcata ttctatgccgtgataaaagtcgcgtaccagcggatgttcgctgccttgatggagttgc aacaaaggacgttgaccatcgggttgggtaacgacattgcaatgcaaaccgaaggtgt cggattcgtaagggggcagccggttgcagatcatgccgaaataaacggcgttttcagg gttg

Shigella flexneri

ctgaccagcacgaaaagaaaaggccgcgtctggcacgatgcggacacgatatacggta tccgtgatagctgctaccgaggtcactttacagcttaaggttgtcatgcgctttctct gtcggatcgataaatagggcaaaacaaacgcgcatcaggcgcttttaccgttgttaaa aatagccagttcatcccagatggcgtcaatatgcgcgacaacatctggatcttttttg atgggacgtcccattcacgctgggtttcccccggccatttattcgtggcatccagcc ccatttttgaacccagcccagagacaggcgaggcaaaatccagataatcaataggcgt attttctaccagaacagtatcccgcgccgggtccatacgggtggtaatcgcccaaatc ${\tt acatcgttccagtcgcgttgacgtcatcatcgcaaacgatcacaaatttagtgt}$ acataaactggcgtaagaacgaccagacgcccatcatgacgcgcttcgcgtgtccggc gtactgttttttgatcgtcactaccgccagacgataagaacagccttccggcggcagg taaaaatcgacaatttccgggaactgtttttgcagaatcggtacaaacacttcgttca acgccacgcccagtaccgcgggctcatctggcggacgcccggtataggtggaatggta ${\tt aatcgcatcttcacgctgggtaatatgcgtcacggtaaacaccgggaaattatcgact}$ tcattatagtaacctgtgtggtcaccatacggcccttccggcgccatctcaccaggat cgatatacccttccaggacgatttcggcactggctggcacttcgaggtcattggaaat acactttactacttcggttttggtgccgcgtagcaatccggcaaacgcatactctgaa agcgtatccggaacggggtgactgcaccgagaatcgtggcaggatcggcacccagcg ccacagaaaccgggaaacgttcgcccggatgcgccgcacaccactcctgataatccag tggcgataaatgcccagattctgccgctctttatgcgggccgcgcgttacggtcagcc $\verb|cccaggtaatcagcgggcatcttccggccagcaggtcataatgggaatgcgatt|\\$ gagatcgacgtcatcgccagagacgattttttgttggcagggcgcaccacgcagtcgc

tttgtcggcatgtttaacacctgcttaaactgcggcagtttatcaaacaggtcgcgga aaccttttggcggctccggctctttcagaaacgccaataatttaccaacttcacgcag cgccgaaacatcttcctgccccatgcccatcgccacgcgctttggcgtaccgaacagg ttgcacagcaccggcattgagtagcctttagggttttcgaacaacagcgcaggcccac cagcacgcagagtgcggtcagcaatttcagtgatttccagatgcggatccaccgggag cgtgatacgttttagctcaccctgctgttcaagcagcgtcaggaagtcgcgtaaatcg ttatatttcatggcgtccattgtagcctcttaatctgcgcccattatacggcgttcat ctttgcaatgctgtaaatttgttaaattagcgtgaactctgacggtataaccc ggggaatataattaacttagcgtaaagcttttgctatccttgcgccccgattaaacgg at

Escherichia coli K12

 $\verb|catgactgctttcgcgtaaaggttgatttcagaagcgccaatatgcagctcgataaac| \\$ ctaccatcaaatactgaccaqcacqaaaaqaaaaqqccgcgtctqgcacqatqcqqac acgatatacggtatccgtgatagcttctaccgaggtcactttacagcttaaggttgtc taccgttgttaaaaatagccagttcatcccagatggcgtcaatatgcgcgacaacatc tggatcttttttgatqqqacqtccccattcacqctgggtttcccccggccatttattc gtggcatccagccccatttttgaacccagccggagacaggcgaggcaaaatccagat aatcaataggcgtattttctaccagaacagtatcccgcgccgggtccatacgggtggt aatcgcccaaatcacatcgttccagtcgcgtgcgttaacgtcatcatcgcaaacgatc acaaatttagtgtacataaactggcqtaaqaacgaccagacgcccatcatgacqcgct tegegtgteeggegtaetgttttttgattgteaetaeegeeaggegataagageagee ttccggcggcaggtaaaaatcgacaatttccgggaactgtttttgcagaatcggcaca aacacttcgttcagtqcgacacccaqcaccqcggqctcatctggcggacqcccgqtat aggtggaatggtaaatcgcatcttcacqctgqgtaatatgcgtcacggtaaataccgg gaaactatcgacttcattatagtaaccggtgtggtcgccatacggcccttccggcgca gtttcgccttgttcgatatacccttccagcacaatctccgcactggcgggcacttcaa gatcattggagatacacttcaccacttcqqtcttggtgccacgtagcaatccggcaaa cgcatactctgaaagcgtatccggaacgggagtgactgcaccgagaatcgtggcggga tcggcacccagcgccacagaaaccgggaaacgttcgcccggatgcgccgcaccact cctgataatccagcgcgccgccqcqatqcgacagccagcgcataatcaqtttqtttt

accaatcagctgctggcgataaatgcccagattctgccgctctttatgtgggccgcgcgtcatcatactgctgcagcccccaggtaatcagcggcgcggcatcttccggccagcaggtcataatgggaatgcgattgagatcgacgtcatcgccagagacgattttttgttggcagggcgcaccacgcagcgctttgtcggcatgttcaatacttgcttaaactgcggcagtttatcaaacaggtcgcggaaaccttttggcggctccggctctttcagaaacgccaataatttaccaacttcacgcagcgcgaaacatcttcctgccccatgcccatcgccacgcgctttggccgtaccgaacaggttgcacagcaccggcattgagtagcctttagggttttcgaacaacaggcaaggcccaccggcacgcaaagtgcggtcagcaatttcagtgatttccagatgcggatccaccgggagcgtgatacgttttagctcaccctgctgttcaagcagcgtcaagaagtcgcgtaaatacgttatatttcatgcgcccattgtagcctcttaatctgcgcccattat

Escherichia coli 0157:H7

agaagcgccaatatgcagctcgataaaccctttttcatccggcgtcgaggccattgag aacggacgtttgtcgcgctcatccatcactaccatcaaatactgaccagcacgaaaag aaaaggccgcgtctggcacgatgcggacacgatatacggtatccgtgatagcttctac cgaggtcactttacagcttaaggttgtcatgcgctttctctgtcggatcgataaatag ggcaaaacaaacgcgcatcaggcgcttttaccgttgttaaaaatagccagttcatccc agatggcgtcaatatgtgcgacaacatctggatcttttttgatgggacgtccccattc acgctgggtttcccccggccatttattcgtggcatccagccccatttttgaacccagc ccggagacaggcgaggcaaaatccagataatcaataggcgtattttctaccagaacag tatcccgcgctgggtccatacgggtggtaatcgcccaaatcacatcgttccagtcgcg tgcgttaacgtcatcatcgcaaacgatcacaaatttagtgtacataaactggcgtaag aacgaccagacgcccatcatgacgcgcttcgcgtgtccggcgtactgttttttgattg tcactaccgccaggcgataagagcagccttccggcggcaggtaaaaatcgacaatttc cgggaactgcttttgcagaatgggaacaaatacttcgttcaacgccactcccagtacc gcgggttcatctggcggacgcccggtataggtggaatggtaàatcgcatcttcacgct gggtaatatgcgtcacggtaaataccgggaaactatcgacttcgttatagtaaccagt gtggtcaccatacggtccttctggcgccatttcgccttgttcgatatacccttccagc acaatctccgcactggcgggcacttcgagatcattggaaatacacttcactacttcgg ttttggtgccacgtagcaatccggcaaaggcgtattccgacaaagtatctggtactgg tgtgactgcaccgagaatggttgccggatcagcgcccaacgccacagagatcgggaaa cgttcacctggatgcgccgcacaccactcctgataatccagcgcgccgccgcgatgcg

acagccaacgcataatcagcttgtttttaccaatcagttgctggcgataaatgcccag
attctgtcgctctttatgagggccacgtgtaacggttagcccccatgtaatcagcggc
gcggcatcttccggccaacaggtcataatgggaatacggttgagatcgacgtcatcgc
cagagacgattttttgttggcagggtgcaccgcgcagtcgctttgtcggcatgtttaa
cacctgcttaaactgcggcagcttatcaaacagatcgcgaaaaccttttggcggctct
ggttctttcagaaatgctaataatttaccgacttcacgcagtgctgaaacatcttcct
ggcccatacccatcgctacgcgctttggcgtaccgaacaagttgcacagcaccggcat
tgagtaccctttagggttttcaaacaacagcgcaggcccaccagcacgcagcgtgcgg
tcagcaatttcagtgatttccagatgcggtccaccgggagcgtgatacgttttagct
caccctgctgttcaagcaacgtcaagaagtcgcgtaaatcgttatatttcatggcgtc
cattgtagcctcttaatctgcgcccattatacggcgttcatctttgcgatgctgtaaa
tt

Bordetella bronchiseptica

tcccacatggcatccacccggcgcttgaccgcctcgtccatgtgtatgggcgtgcccc attcgcggctggtttcgcccggccacttgttggtggcgtccagccccatcttgccgcc caggccggacaccggcgaggcgaaatcgaggtaatcggtggtgttctcgaccagc accgtgtcgcgcacggggtccatgcgcgtggtcatggcccagaccacttcggtccagt $\verb|cgcgcgggtcgatgtcttcgtcgaccaccacgatgaacttggtgtacatgaactgccg|\\$ cagcacgctccacaggccgaacatcacgcgcttggcgtggccggcgtactgcttgcgg atcgacaccaccgccaggcggtagctgcagccttccggggggcaggtagaaatcgacga $\verb|tttegggcagctggcgcagcagcagcagcacgaatacctcgttcagcgccacgcccag|$ cacggccggctcgtcgggcggcttgccggtataggtggagtggtagatggggttgcgc cgcatggtgatgcggtccaccgtgaacaccgggaaccagtcctgctcgttgtagtagc tggccctcgagcacgatctcggccgaggccggcaccgacagġtcgctgcccagcgcct tgacgacctcggtgcgcgagccgcgcagcccggcgaactggtattcggacagcgt gtccggcaccggcgtgaccgcgcccaggatggtggccgggtcggcacccagcgccacg gcgatgggaaacggcttgcccgggtgggcctgggcgtggtcgcggaagtccagcgcgc cgccgcggtgcgacagccagcgcatgatcagcttgttcggccccagcggctgctggcg gtagatacccaggttctgccgcgggcgttcggcccgcgcgtgatcaccaggccccag gcgagcagggggccacatcgcccggccagcaggtctggatgggcaggcggcccaggt

Bordetella pertussis

tgtatgggcgtgccccattcgcggctggtttcgcccggccacttgttggtggcgtcca cgcgttctcgaccagcaccgtgtcgcgcacggggtccatgcgcgtggtcatggcccag accacttcggtccagtcgcggggtcgatgtcttcgtcgaccaccacgatgaacttgg tgtacatgaactgccgcagcacgctccacaggccgaacatcacgcgcttggcgtggcc ggcgtactgcttgcggatcgacaccaccgccaggcggtagctgcagccttccgggggc aggtagaaatcgacgatctcgggcagctggcggcagcagcggcacgaatacctcgt teagegecaegeceageaeggetegteggeggettgeeggtataggtggagtg gtagatggggttgcgccgcatggtgatgcggtccaccgtgaacaccgggaaccagtcc tgctcgttgtagtagccggtatggtcgccataggggccttcgagcgccatttcgtagc eggtggeeggggttggegeetegggeaceaeggeagegaeggegeggate gtcggccggcagcaggtggccctcgagcacgatctcggccgaggccggcaccgacagg tegetgeccagegecttgaegaceteggtgegegageegegeageageeggegaact ggtatteggaeagegtgteeggeaceggegtgaeegegeeeaggatggtggeegggte ggcgcccagcgccacggtgatgggaaacggcttgcccgggtgggcctgggcgtggtcg cggaagtccagcgccgccccggtgcgacagccagcgcatgatcagcttgttcggcc $\verb|ccagcggctgctgctgctgctgttctgcccgcgggcgttcggcccgcgcgt|\\$ gatcaccaggccccaggcgagcaggggcgccacgtcgcccggccagcaggtctggatg ggcaggcgctcagctcgacgtcggcgccttcccagacgatttcctggcaggcggcgc tgcgcacggtcttggggctcatgtcccacagggcggctttcagcatggacaccttggc cagcgcgtcgcgcaggcccttgggcgcttcgggctcgcgcagggaggccagcagttcg ccggtttcgcgcagggcgccgacgtcgtcggcccccatgccccaggcgacccgccgcg

2004/0152

gttetegaacageagggeegggeegegegegeageaceeggteggeaateteggteatteceageegegtegagaceggegeggtgatgegtttgagttegeee

Figure 13. Marqueur moléculaire VII (protéine yleA hypothétique) dans des bactéries à Gram négatif

Haemophilus influenzae

Tatctgctgctggcgtacctggtcgggctgagtacacaaaactgaagctcatatcaaa gtttacttgtgcaatcaaattcatagtttgctcaaaatcttccgccgtttcaccaqqq aaaccaacaataaagtcaqagctgatttgaatatctgggcgcacagcacqaaqtttac gaataatggatttatattctaatgcggtatgagcacgtttcatcattgttaatacacg gtcagaacctgcttgcactggaagatgtaagaaactcactaattcaggcgtatcacga tacacatcaataatatcatcggtaaattctattggatgactggttgtgaaacgtaaac ggtcaataccatcaattgatgcgacaagacgaagcaactcagcaaagctgcaaatttg accatcatqcqttqqcccacqataaqcatttacattttqaccaagtagattqacctca cgcacaccttgttccgcaagttgcgcaatttcaaatagcacatcatctacaggacggc taacttcttctccacqagtataaqqcacaacacaaaaagtacagtatttattacagcc ttccataatggaaacaaatgccqttqqqccttctgcgcgaggttctggtaagcggtca aattteteaattteaqqqaaacttacqtetacqaeqqaacttttteeaccacqaattt gattaatcatttcaggcaagcgatgcaaagtttgcgggccaaaaataatatccacata aggcgcacgatggcgaatatgttccccttcttgagaggctacacagccgcccacacca atcactaaatttqqattatttttctttaattctttccaacgcccaagttggtggaaca ctttttcttgtgctttttcacgaatagaacaggtatttaataataatacgtctgcttc ttcaggtgcttccgtgagttctaatccgtgggtgcttaataaaagatcagccatttta qatqaatcatattcattcatctqqcaqccccaaqttttaatatqtaatttttqagtca ttttct

Pasteurella multocida

tttgctcgaaatcttctgctgtttcgcccgggaaaccgacaataaaatctgagctaat ttgaatctctggacqcaccqctcttaacttccgaataatcqatttatattctaatqcc gtatgattgcgtttcatcataqataacacacgatcagaaccactttgtacaggtaagt gtaagaaactcaccaactctggcgtatcacggtacacatcaataatgtcatcagtgaa ctcaattgggtgactggtgqtaaaacgtaaacggtcaataccatcaatagcggctact aaacqtaacaattccqcaaaaqtacaaataccqtcatcatqaqttqcaccacqataaq cqttcacqttttqtcctaataaattcacttcacqcacqccttqctctqccaactqtqc aatttcaaataatacatcatccactggacgactgacttcttcaccacgcgtataaggc acgacacagaatgaqcaatatttattacaqccttccataatqgatacqaaaqcaqttg gaccttctgcacgcggttctggtaaacggtcgaatttttcaatttctggaaaactgac ategactactgagettttaccacctctgatctgattgatcatttcaggtaaacgatgt aaggtttgtggtccaaaaataatatcgacataaggagcacgagtacgaatgtgttctc cttcttgtgaggcaacacagccccaacaccgataacgagtcccggcttatgtttctt taattctttccaacgtcctaattgatggaaaactttttcttgtgctttttcacgaatt qaqcaaqtqtttaacaataacacatccqcttcttccgqaatttctgttaactctaagc accccacgttttaatatgtaatttttgcgtcat

Haemophilus ducreyi

ggacgcgcagagtagataaagctaaagctcatatcaaaattgacttgttcaataattt tcattgtttgttcaaagtcttccgctgtttcgccaggaaagccaacaatgaaatctga gctaatttggatatttggacgaaccgcacgtaatttacgaataatggctttgtattct aatgcggtgtggttacgtttcatcatggttaaaacacgatcggcgccactttggatag gtaaatgcaagaagctgaccaattctggagtatcacgatacacttcaataatgtcgtc ggtgaattcaatggggtggcttgtggtataacgtaaagcggtcaataccatcaatggcg gcaactaaacgtaataattctgcaaaagtgcaaatgccaccatcaaaggtttcaccac ggtaagcattaacgttttgacccagcaagttaacttcacgaacgccttgctctgctaa ttgtgcgatttcgaataagacatcatcaacaggggggaaacttcttcaccacgggta taaggcactacacagaatgagcagtatttattacagccttccataattgatacgaaag cagttggaccttctgctttgggttctggtaagcggtcgaatttttcaatttctgggaa ggagatatcgactactgcacgatcgcttgatcggtaggaacgttcaatttctgggaa ggagatatcgactactgcacgatcgctgatcggatctggttgatcatttctggtaag cggtgcaatgtttgtggcccaaatactatatcaacaaaaggggcacgttcacggatat gttcaccttcttgtgaagcaacacagccaccacacgccaataattaaatcgggtttgtc

Vibrio parahaemolyticus

Aggacgcgctttacgtagtttacggatgatcgacttgtactcgatagctgtgtgagga cgcttcatcatcgttagaatacggtcactaccactttgtactggcaggtgtaggaaac tcacaagctccggggtatcttcgtaaaccgcgatgatgtcgtctgtaaactctagcgg gtggctagtcgtgaaacqaatacqqtcqataccatcgatagatgcaacqaqacqaagc agttcagcaaaaqagcagatctcqccgtcqtqcatagqgccacqgtatgcgtttacgt tttgacctagtaggttaacttcacgtacaccttgttccgctagctgtgcaatctcgaa taacacgtcatccattggacgactaacttcttcaccacgagtgtatggtacaacgcag caegtggctcagqtaqqcqqtcqaacttttcaatctctgggaacgaaatgtccattac cggtgcatcgtcagtttgagattgtttgatcatctcaggtaggcggtgcagagtttga gggccaaagatcacgtcaacgtatggtgcacgctcacggatgtggtcaccttcttgtg ttgctacacaaccacctacaccgataactacgccaggttttttatcttttagtgtttt ccaacggcctagctggtagaaactttctctttgcgctttttcacggatcgaacaggtg ttaagtagaagtacgtctgcttcctctggctcttccgtcagctcatagccgtttgcag cattaaqcaqqtcqqccatttttqatqaatcqtattcqttcatctqqcaqccccaqqt tttaattagcagtttcttactcatctcactttcgctcgttcagttgtacttaaattgg agagctattgctcaaattatagccgccatcacggcggtaagcggcgtattgtactgct ttaaaaaqcacctqactaqtqatctqacqaattctctqcaaaccctqatqaaatctag ttttttgccctatatacagcaaggttttttgttaaa

Yersinia pestis

gaatttaccaatcatgtcgggtgaaccctcaaagttcacgacgcggttgttttccgta cgcccggccagttccatgacatttttgcgagaggtaccctccaccaaaacacgctgta

ctgtccctaccatcttacggctaatttccatcgcctgttggctaatgcgttgttgcag gatatgtagccgctgttttttctcctcttcggacacattgttgggtaaatcagccgct ggtgtgccgggacgcggggagtaaataaagctgtagctggtatcaaaatgaatatctg cgaccagtttcatggtctgttcaaaatcctgctgggtttcaccagggaagccgacaat aaaatcagaacttatctggatatcagggcgtgcttgacgcagtttgcggatgatggct ttgtattccaaggcggtatgggcacgcttcatcatggtcaaaatacggtcagaaccgc tttgtaccggcaaatgcaggaagctcaccaattcaggcgtatcgcgataaacatcaat gatatcgtcagtaaactcaatggggtggctggtggtaaatcgtaccctatcgatacca tcaatcgccgcaaccaacgcaacagctcggcaaaactacagatatcgccatcgtagg ttgccccgcggtaggcgttaacattctggccgagtaagttgacttcacgtacgccttg agcggctaactgggcgatttcaaaaagaatgtcatcgcttggacggctgacttcctcg aaacaaacgcagttgggccttcagcccgtggttctggcaaacggtcaaatttttcaat ttcgggaaaactgatatccacgacagggctattcgttccttgcacgtggttaatcatt tccggtaaacgatgcagcgtttgtggcccgaagatgacatcgacacagggggcgcgct ggcgcaattgttcaccttcctgtgacgccacgcaaccaccgaccccaataatcaactg cgggtttttctctttcaataatttccattgccctagcaggctgaatactttttcctgt gctttttcccggatagaacaggtatttagcagcagtaaatccgcttcttccgggatgg tggttaactggtagccatgggtactggccaagagatctgccattttagatgaatcgta $\verb|ticattcatctggcaaccccaggttttgatatgcagttttttagtcatcgggttattc|$ atcatcaaaatcacctcgttccgtgcggtactccgttgtggtagataatctccgttgt agtagagagtcgcaaaggcttcgtcgttagggagcattgtagtcatttgcctctgcga tgaccaccgcagaaccgttgagttattctgttgagtgataaaaaatccgttacactgc ggttagacaaaaccttgctaatg

Salmonella typhimurium

tcgtcggtgaactcaatcggatggctggtggtaaagcgaatacggtcaatgccgtcga tggcggcaaccagacgcagcagatcggcaaaggtaccggtggtgccgtcgtagttttc gctaactgggcgatttcgaacaggatatcgtctgagggacggctgacttcttcaccgc gggtatacggtaccacacagtaagtacaatatttattgcagccttccatgatagaaac gaaagcggtcgggccttctgcgcgcggttccggcaaacggtcgaacttctcgatttcc gtaggcggtgtaaggtttgcgggccaaaaataatgtcgacgtaatgggcgcgttgacg aatgtgctcgccttcctgggaagccacgcagccgccgacgccgataatcagatcggga tttttctcttttaacagtctccagcgacctaattgatggaagactttttcctgagcct tetegeggattgageaggtatteaaeageageaeateegeetetteegeeaegteggt cagttgatagccgtgggtggcgtccagcagatcggccatcttcgatgaatcgtactcg ttcatctgacagccccaggttttaatatggagttttttagtcatcgacttgctcttgc gaaatagtggctgaaaagcagggcgcatagtgtaatgctttggcgcggttgtgaccag tatgactgacgtcagccctaatgggtaaaaaatcctgtaaacttgtctaaaacgtaac aggatgaatgaccatgacaaatcaaccaacggaaattgccattgtcggcggggaatg gtcggcgcgctggcgctgggtctggcgcagcaagggtttacggtgatggtaatag

Vibrio cholerae

cgtctgtgggccgaagatgacatccacataaggcgcacgatcgcgaatcgagtcacct tcttgagtagcaacaggcaccgacaccgatcacgacacctggcttcttgtcttca gggttttccaacgaccgagttggtggaagactttttcctgcgccttttcacgaatcga acaggtgtttaggagtaaaacgtcagcttcctcgggtatttctgtcagctcatagccg tttgcagcattaagcaggtcagccattttcgatgaatcgtactcgttcatctggcagc cccaagttttaattagcagtttcttactcatctcactttcgctcgttcaatagttctt caatcatttgagctgtagctcacattctagccgccctctcggcggtaagcggcgtatt gtactgctttaaaaaaccgactgactagtaattggcggaattctcttgtaacccttg

Escherichia coli K12

tatacagacgctgcttcttcttcttccggaacatcatcaaccatatcggcggctgg tgtacccggacgtgcagagaagataaagctgtagctcatgtcgaaattgacgtcggca atcagcttcatcgttttctcgaagtcttcggtggtttcgccagggaagccaacgatga aatcagaactgatctgaatatctggacgcgccgcacgcagtttacggatgatcgcttt gtactccagcgccgtatgggtacggcccatcaggttcagaatgcgatcggaaccgctc tgtaccggcagatgcaggaagctcaccagctccggcgtgtcgcgatacacttcgatga atcgcagcaaccagacgcagcagatcggcaaacgatccggtggtgccgtcgtagtttt cgggtgtaaggcaccacgcagtaggtgcaatatttattgcagccttccatgatggaga caaacgcggtcggcccttcggcgcgcggttccggtagacggtcaaacttctcgatttc ggcagacggtgcagcgtttgcggcccaaaaataatatcgacatagtgggcgcgctggc gaatgtgetegeettettgegatgeeaegéageeaeegaegeegataateaggtetgg attettetettttaacagttteeagegaeeeaactgatggaagaettttteetgagee ttctcgcggattgagcaggtgttcagcagcagcacatccgcttcttccgccacgtcgg tcagttgatagccgtgggtggcatccagcagatcggccatcttcgatgaatcgtactc gttcatctgacagccccaggttttaatatggagttt

Escherichia coli 0157:H7

Catcatcaaccatatcggcggctggtgtacccggacgtgcagagaagataaagctgta gctcatgtcgaaattgacgtcggcaatcagcttcatcgttttctcgaagtcttcggtg

gtttcgccagggaagccgacgatgaagtcagaactgatctgaatatctggacgcgccg cacgcagtttacggatgatcgctttgtactccagcgccgtatgggtacgtcccatcag gttcagaatgcgatcggaaccgctctgtaccggcagatgcaggaagctcaccagctcc ggcgtgtcgcgatacacttcgatgatatcgtcggtgaattcgatcggatggctggtgg taaagcgaatacgatccagtcgatcgcagcaaccagacgcaacagatcggcaaa cgatccggtggtgccgtcgṭagttttcaccacgccaggcgttcacgttctgaccgagc aggttgacttcacgcacgccctgagccgcaagctgggcaatctcaaacagaatatcgt cagacggacggcttacctcttcaccacgggtgtaaggcaccacgcagtaggtgcaata tttattgcagccttccatgatggagacaaacgcggtcggcccttcggcgcgcggttcc ggtagacggtcaaacttctcgatttccgggaagctgatatctacaaccgggctgcggt cgccgcgcacggagttgatcatctccggcagacggtgcagcgtttgcggcccaaaaat aatatcgacatagtgggcgcgctggcgaatgtgctcgccttcttgcgatgccacgcag ccaccgacgccgataatcaggtctggattcttctcttttaacagtttccagcgaccca actgatggaagactttttcctgagccttctcgcggattgagcaggtgttcagcagcag tcggccatcttcgatgaatcgtactcgttcatctgacagccccaggttttaatatgga gttttttggtcatcgacttgctcttgcgaaatagtagccaggaatgcagggcgcatag tgtaatgctttgctgccgttgtgaccagtatgagcgtt

Pseudomonas aeruginosa

cgttctgtcccagcagggtgacttcgcggacgccgttctcggccaggtggatcacttc
ggcgatcacgtcgtcgaatggtcggctgacttcctcgccgcgggtgtagggcaccacg
cagaagctgcagtacttgctgcagccttccatcaccgagacgaaggcggtggggccat
cgacccgcggttccggcaggcggtcgaatttctcgatttccggcaaggcggtgaggtc
ctgcggcttgcgcgtgcgcgcggcgtcgatcatttccggcaggcggtgcagggtc
tgcgggccgaagaccacgtcgacatagggcgcgctcacggatcgcggcgcttcct
ggctggccacgcagccgccgacgccgatcaccaggtcgggattctgctgctcagctc
gcgccacatgccgagcttggaaaacaccttttcctgggcattctgctgcttcagctc
gcgccacatgccgagcttggaaaacaccttttcctgggccttcacctcgagggcttggt
gttcaccgagcaggtcggcattcggacgagtcgtactcgttcatctggcagcgtg
ggtttcgatgaaaagcttcttggcattcgcaggcttcgtcgacagtcgaaaagccgc
gcattatagaggggggccccggttcctagcgttgctggcgaaaggctgtgctat
gattcgcgcccttcattttccggcattgcttccccgccatgaacaagcgcgaaaacc
ccatctacaaggtgattttcctcaaccagggccaggtcttcgagatgtatgc